

# Cuộc điều tra khoa học về nguồn gốc bí ẩn của COVID-19 hoặc SARS-CoV-2

COVID19 Files – Scientific Investigation On Mysterious Origin Of Coronavirus



Bởi <https://greatgameindia.com/covid19-files-scientific-investigation-on-mysterious-origin-of-coronavirus/>  
Ngày 21 tháng 2 năm 2020 | Sửa đổi lần cuối vào ngày 28 tháng 2 năm 2020 lúc 6:09 chiều,

## Nội dung

### 1. Chợ thủy hải sản Nam Trung Quốc: nguồn dịch bệnh gây tranh cãi

- 1.1 Thông tư nội bộ
- 1.2 Phá hủy hiện trường vụ án
- 1.3 Tuyên bố của CDC Trung Quốc
- 1.4 Phát lộ từ tài liệu của Lancet
- 1.5 Tiêu chuẩn chẩn đoán

### 2. Bằng chứng về virus học: Sự biến đổi gen ở Vũ Hán New coronavirus COVID-19

- 2.1 Protein E
- 2.2 Virus Zhoushan
- 2.3 Protein S
- 2.4 Đồng hồ tiến hóa phân tử và tổ tiên chung gần đây

### 3. Shi Zhengli: Bí ẩn về sự lây nhiễm giữa các loài coronavirus

- 3.1 Mối quan hệ đặc biệt giữa protein S và thụ thể ACE2
- 3.2 Chìa khóa đối với nhiễm trùng chéo loài coronavirus
- 3.3 Tranh cãi về học thuật

3.4 Virus dơi móng ngựa mới RaTG13

#### 4. **Bí ẩn con Tê tê: vật chủ trung gian đột ngột**

4.1 Con Tê tê đặc biệt

4.2 Coronavirus từ Tê tê có lây nhiễm cho con người không?

#### 5. **Viện virus học Vũ Hán: tâm chấn của dịch coronavirus**

5.1 Hợp tác Trung-Pháp

5.2 Chương trình vũ khí sinh học bí mật của Trung Quốc

#### 6. **Cuộc điều tra của GreatGameIndia trên coronavirus Bioweapon**

6.1 Lực lượng đặc nhiệm coronavirus của Nhà Trắng

6.2 Chiến tranh Sinh học Coronavirus

6.3 Vụ ám sát Frank Plummer

Khi coronavirus của Vũ Hán gây ra mối đe dọa toàn cầu ngày càng tăng, ngày càng nhiều chuyên gia từ nhiều quốc gia khác nhau đã chú ý nhiều hơn đến nguồn gốc của virus corona mới (COVID-19 hoặc SARS-CoV-2).

Trong cuộc điều tra khoa học về nguồn gốc bí ẩn của coronavirus, chúng tôi tìm hiểu các nguồn của New coronavirus từ năm lĩnh vực chính, bao gồm: 1). Điều tra dịch tễ học, 2). So sánh gen virus, 3). Nghiên cứu nhiễm trùng chéo, 4). Lưu trữ trung gian chủ yếu và 5). Các phát hiện trên phòng thí nghiệm Vũ Hán P4. Để cung cấp cho độc giả một quan điểm sâu sắc và hoàn toàn khoa học.

Hai tháng đã trôi qua kể từ khi dịch New coronavirus bùng phát ở Vũ Hán, nhưng kiến thức của cộng đồng khoa học vẫn còn rất hạn chế đối với bí ẩn COVID-19 (còn gọi là SARS-CoV-2, trước đây được gọi là WHO-2019-nCoV của WHO, được gọi là New coronavirus trong báo cáo này).

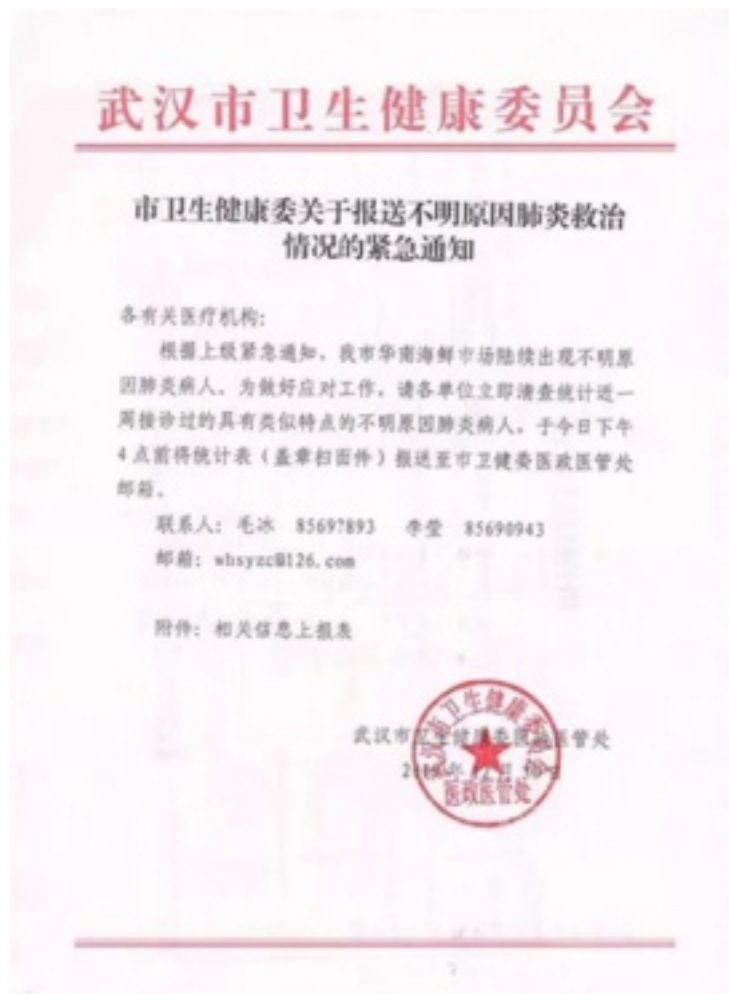
Có phải Chợ thủy hải sản Nam Trung Quốc (nguyên văn: South China Seafood Market) là nguồn gốc của sự bùng phát? Phòng thí nghiệm P4 được theo dõi chặt chẽ, Viện Virus học Vũ Hán đóng vai trò gì? Các quan chức của CCP (Chinese Communist Party) nhấn mạnh rằng coronavirus mới đến từ dơi - vật chủ ban đầu, và một số học giả từ Đại học Nông nghiệp Nam Trung Quốc thậm chí còn tuyên bố rằng họ tìm thấy một vật chủ trung gian - tê tê. Tuy

*nhiên, nghiên cứu của cộng đồng khoa học về trình tự gen virus và so sánh và xác minh một số lượng lớn tài liệu khoa học cho thấy nguồn gốc của virus không đơn giản như vậy.*

## **1. Chợ thủy hải sản Nam Trung Quốc: nguồn dịch bệnh gây tranh cãi**

### **1.1 Thông tư nội bộ**

Dịch bệnh khốc liệt này đã lần đầu tiên xuất hiện trước công chúng với thông tư nội bộ của Ủy ban Y tế và Sức khỏe thành phố Vũ Hán lưu hành trên Internet. Thông tư nêu rõ: *Bệnh nhân viêm phổi không rõ nguyên nhân đã xuất hiện ở chợ thủy hải sản Nam Trung Quốc của chúng tôi.* Tổ chức này tuyên bố rằng tất cả các đơn vị y tế được yêu cầu báo cáo các trường hợp viêm phổi tương tự không rõ nguyên nhân cho Cục Quản lý Y tế và Sức khỏe của Ủy ban Y tế và Sức khỏe.



Chợ thủy hải sản Nam Trung Quốc nằm ở quận Jiangnan, thành phố Vũ Hán, tỉnh Hồ Bắc. Đây là một Chợ đầu mối quy mô lớn nguồn cung cấp bao gồm thịt lợn và nhiều loại sản phẩm đông lạnh thủy hải sản, ướp lạnh, đồ khô và gia vị, và cũng bán một số sản phẩm từ động vật hoang dã.

Khi "bệnh viêm phổi không rõ nguyên nhân" bất ngờ xuất hiện trước mặt công chúng, một từ như "động vật hoang dã" đã nhanh chóng trở thành tâm điểm chú ý nhất. Rốt cuộc, sự bùng phát của dịch SARS mười bảy năm trước cũng đã được chính thức coi là một tai họa do người Quảng Đông ăn động vật hoang dã.

### *1.2 Phá hủy "hiện trường vụ án"*

Vào ngày 31 tháng 12 năm 2019, lần đầu tiên Ủy ban Y tế và Sức khỏe thành phố Vũ Hán tuyên bố công khai rằng một số tổ chức y tế gần đây đã phát hiện ra rằng nhiều trường hợp viêm phổi thừa nhận có liên quan đến Chợ thủy hải sản Nam Trung Quốc. Vào ngày 1 tháng 1 năm 2020, Thị trường Thủy sản Nam Trung Quốc đã đăng một thông báo đóng cửa Chợ, sau đó là một cuộc cải tạo vệ sinh môi trường kỹ lưỡng. Guan Yi, một chuyên gia SARS nổi tiếng của Hồng Kông, sau đó đã chỉ trích rằng biện pháp này tương đương với việc phá hủy hiện trường vụ án ở thành phố.

Kể từ đó, Vũ Hán đã nhiều lần nhấn mạnh rằng hầu hết các trường hợp của coronavirus Vũ Hán đều có tiền sử phơi nhiễm hoặc phơi nhiễm ở Chợ thủy hải sản Nam Trung Quốc. Tổng cộng có 585 mẫu được lấy mẫu từ Viện Virus Virus thuộc Trung tâm kiểm soát và phòng ngừa dịch bệnh Trung Quốc vào ngày 1 và 12 tháng 1 và được chuyển đến phòng thí nghiệm để thử nghiệm.

### *1.3 Tuyên bố của CDC Trung Quốc*

Vào ngày 22 tháng 1, Gao Fu, giám đốc Trung tâm kiểm soát và phòng ngừa dịch bệnh quốc gia, cho biết trong một cuộc họp báo của Văn phòng Thông tin Hội đồng Nhà nước rằng nguồn New

coronavirus ở Vũ Hán là động vật hoang dã được bán bất hợp pháp tại một chợ thủy hải sản ở Vũ Hán.



GreatGameIndia

EXCLUSIVE#Coronavirus Bioweapon Thread

How China Stole Coronavirus From Canada And Weaponized It / ĐỘC QUYỀN # Coronavirus Bioweapon ThreadHow Trung Quốc đã đánh cắp coronavirus từ Canada và vũ khí hóa nó



Coronavirus Bioweapon - How China Stole Coronavirus From Canada And Weaponized It | GreatGameIndia

Coronavirus Bioweapon : How Chinese agents stole Coronavirus from Canada's National Microbiology Laboratory and weaponized it into a Bioweapon.

Coronavirus Bioweapon - Cách Trung Quốc đánh cắp coronavirus từ Canada và vũ khí hóa nó |

Coronavirus Bioweapon: Cách các đặc vụ Trung Quốc đánh cắp coronavirus từ Phòng thí nghiệm vi sinh quốc gia Canada và vũ khí hóa nó thành Bioweapon.

Vào ngày 26 tháng 1, Trung tâm kiểm soát và phòng ngừa dịch bệnh Trung Quốc cho biết, viện nghiên cứu lần đầu tiên phát hiện 33 mẫu có chứa axit nucleic mới của coronavirus từ 585 mẫu môi trường từ Chợ thủy hải sản Nam Trung Quốc và đã phân lập thành công virus từ các mẫu vật môi trường dương tính. Họ tuyên bố rằng virus có nguồn gốc từ động vật hoang dã được bán ở chợ thủy hải sản Nam Trung Quốc.



Tại thời điểm này, tuyên bố rằng Chợ thủy hải sản Nam Trung Quốc là nguồn gốc của dịch bệnh đã trở thành kết luận chính thức.

#### 1.4 Phát lộ từ Tài liệu của Lancet

Thật bất ngờ, chỉ một ngày sau đó, một báo cáo được xuất bản trực tuyến bởi *Science* vào ngày 27 đã đưa ra một thách thức lớn đối với kết luận chính thức của CCP.

Báo cáo trích dẫn một bài báo trên tạp chí y tế hàng đầu thế giới *The Lancet*, đặt câu hỏi rằng nguồn dịch bệnh viêm phổi New coronavirus ở Vũ Hán có thể không phải là Chợ thủy hải sản Nam Trung Quốc.

Bài báo có tựa đề "*Đặc điểm lâm sàng của bệnh nhân mắc bệnh coronavirus mới / Clinical Features of New Coronavirus Infected Patients*", được xuất bản trên tờ *The Lancet* vào ngày 24 tháng 1. Tác giả đầu tiên của bài báo là Huang Chao Lin, phó giám đốc bệnh viện Jinyintan, bệnh viện được chỉ định đầu tiên về bệnh viêm phổi không rõ ở Vũ Hán. Phần còn lại của các tác giả bao gồm các bác sĩ lâm sàng khác trong bệnh viện và các thành viên của một số tổ chức nghiên cứu.

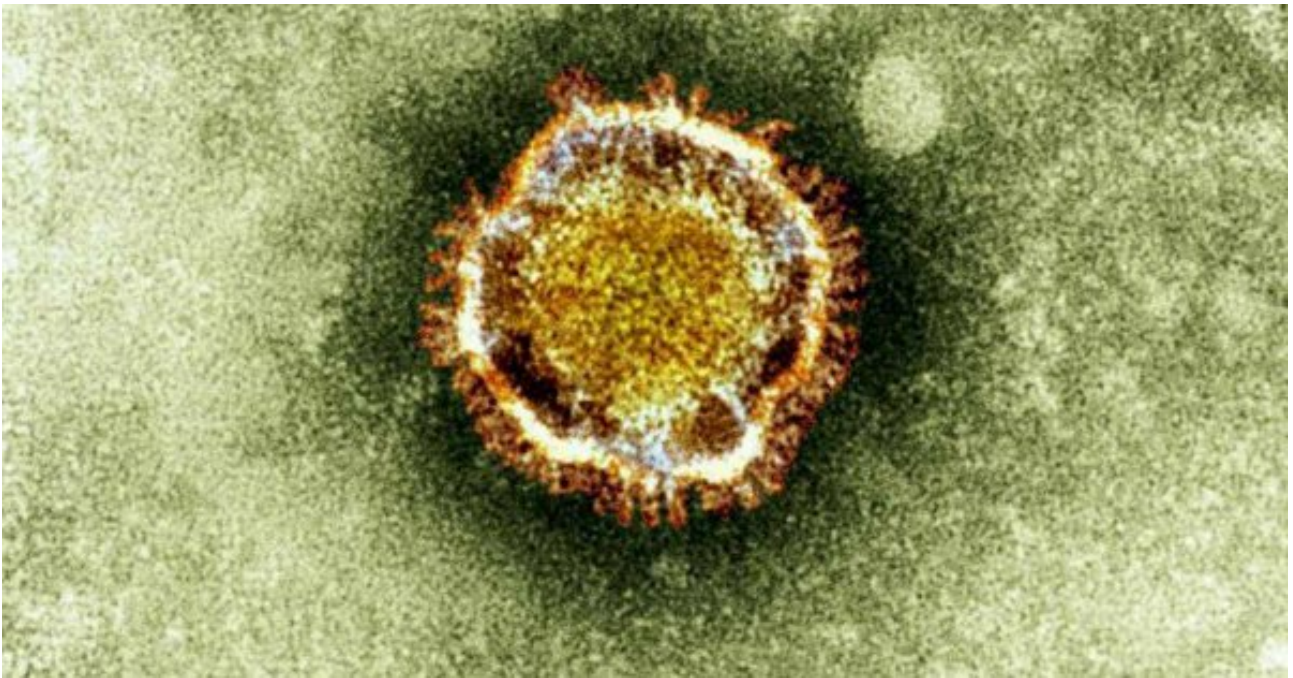


GreatGameIndia

@GreatGameIndia

Replying to @GreatGameIndia

On May 4, 2013, a sample of #Coronavirus from the very first infected Saudi patient arrived in Canada's National Microbiology Laboratory in Winnipeg via Ron Fouchier of Erasmus Medical Center in Rotterdam, Netherlands who sequenced the virus sample. Vào ngày 4 tháng 5 năm 2013, một mẫu #Coronavirus từ bệnh nhân Saudi bị nhiễm bệnh đầu tiên đã đến Phòng thí nghiệm Vi sinh Quốc gia Canada ở Winnipeg thông qua Ron Fouchier của Trung tâm Y tế Erasmus ở Rotterdam, Hà Lan, người đã giải trình tự mẫu virus.



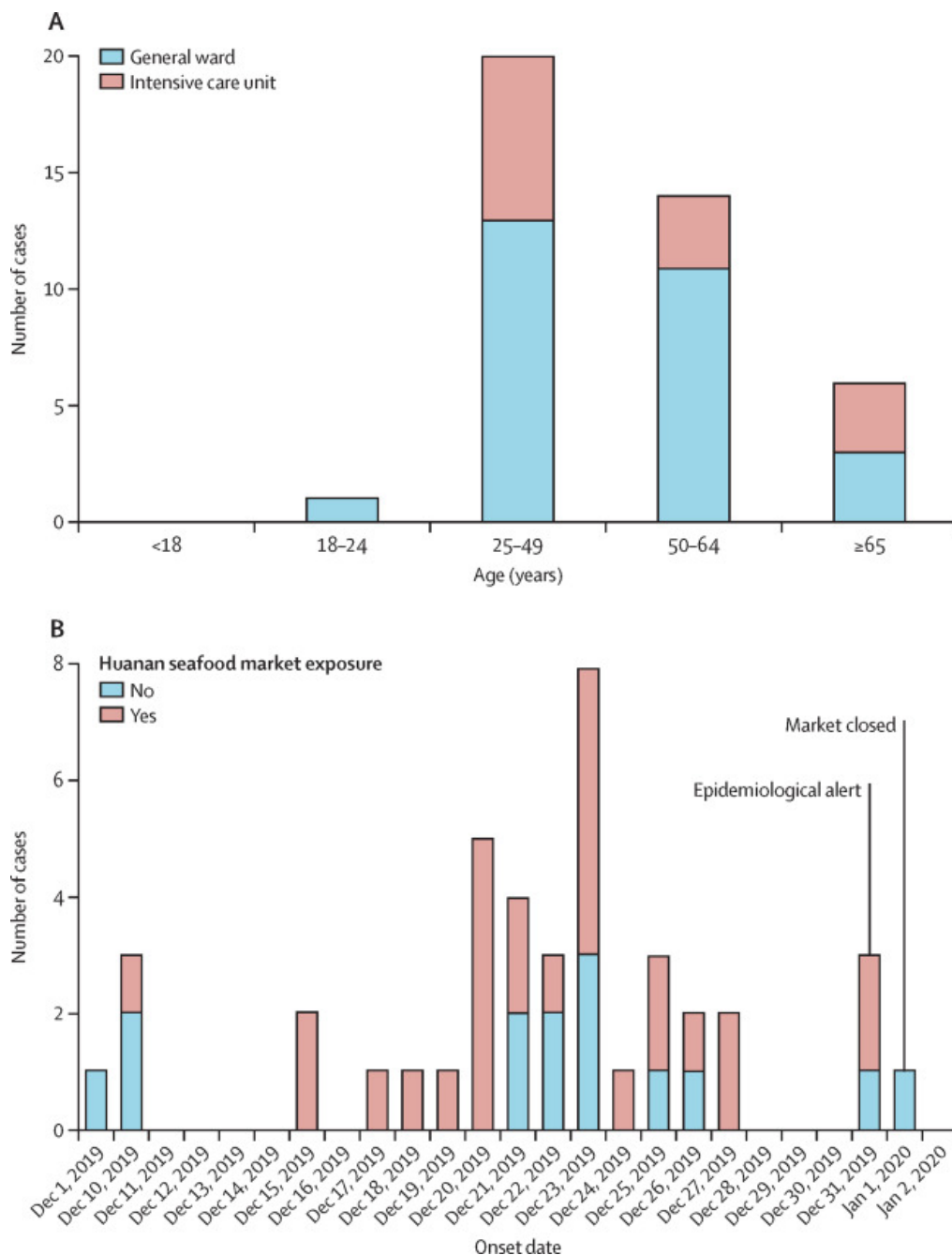
*Canadian Lab Acquires Coronavirus Sample | GreatGameIndia*

*Canadian lab has acquired a sample of the new coronavirus that is causing infections in a number of countries, most notably Saudi Arabia. / Phòng thí nghiệm Canada thu thập mẫu coronavirus | Phòng thí nghiệm Canada đã thu được một mẫu coronavirus mới đang gây nhiễm trùng ở một số quốc gia, đặc biệt là Ả Rập Saudi.*

Bài viết này tiết lộ thông tin chính sau đây:

- Bệnh nhân đầu tiên bị bệnh vào ngày 1 tháng 12, không liên quan đến Chợ thủy hải sản.
- Bệnh nhân đầu tiên không có mối liên quan dịch bệnh với các bệnh nhân tiếp theo.
- Vào ngày 10 tháng 12, 3 trường hợp khác đã xảy ra, trong đó có 2 trường hợp không liên quan đến chợ thủy hải sản Nam Trung Quốc.
- Bắt đầu từ ngày 15 tháng 12, các trường hợp có lịch sử tiếp xúc với Chợ thủy hải sản được tập trung.
- Bài báo đếm tổng cộng 41 bệnh nhân và 14 trường hợp không liên quan đến Chợ thủy hải sản, tỷ lệ vượt quá 1/3.
- Không có con dơi nào được bán trong chợ thủy hải sản và không có dấu vết của con dơi nào được tìm thấy.

*Ngày khởi phát bệnh và phân bố tuổi của bệnh nhân nhiễm trùng 2019-nCoV được xác nhận trong phòng thí nghiệm*



(A) Số lần nhập viện theo nhóm tuổi. (B) Phân phối ngày khởi phát triệu chứng cho các trường hợp được xác nhận trong phòng thí nghiệm. Cơ quan y tế địa phương Vũ Hán đã đưa ra một cảnh báo dịch tễ học vào ngày 30 tháng 12 năm 2019 và đóng cửa chợ thủy hải sản Huânan 2 ngày sau đó. Nguồn: nghiên cứu trên được công bố trên *The Lancet*

Không chỉ vậy, một vấn đề khác của *The Lancet* vào ngày 29 tháng 1 đã phân tích 99 trường hợp được xác nhận tại Bệnh viện Jinyintan, 50 trong số đó không có lịch sử liên hệ với Chợ thủy hải sản. Tờ *New England Journal of Medicine* cũng có một bài báo chứng tỏ rằng: Trong số 425 trường hợp, 45% những người bị ảnh hưởng trước ngày 1 tháng 1 không có tiền sử tiếp xúc với Chợ thủy hải sản.



So với báo cáo chính thức, có thể thấy rằng có sự khác biệt rõ ràng giữa hai. Thông tin chính thức tương ứng như sau:

- Thời gian khởi phát của bệnh nhân đầu tiên là ngày 8 tháng 12, liên quan đến Chợ thủy hải sản.
- Thị trường thủy hải sản Nam Trung Quốc được chính thức xác định là nguồn dịch. Bệnh nhân đầu tiên không có tiền sử tiếp xúc với Chợ thủy hải sản và 1/3 trường hợp nêu trên không có tiếp xúc với Chợ thủy hải sản Dữ liệu lịch sử.
- Viện nghiên cứu virus học Vũ Hán Shi Zhengli và cộng sự, xuất bản ngày 23 tháng 1, đề cập đến những con dơi móng ngựa được tìm thấy từ tỉnh Vân Nam có chứa một loại virus có bộ gen mà họ tuyên bố là giống hệt nhau với virut coronavavirus 96,2%, do đó virus từ dơi trở thành sự đồng thuận phổ biến.

#### 《柳葉刀》論文與官方通告的對比

##### 《柳葉刀》論文描述

##### 官方通告

對比

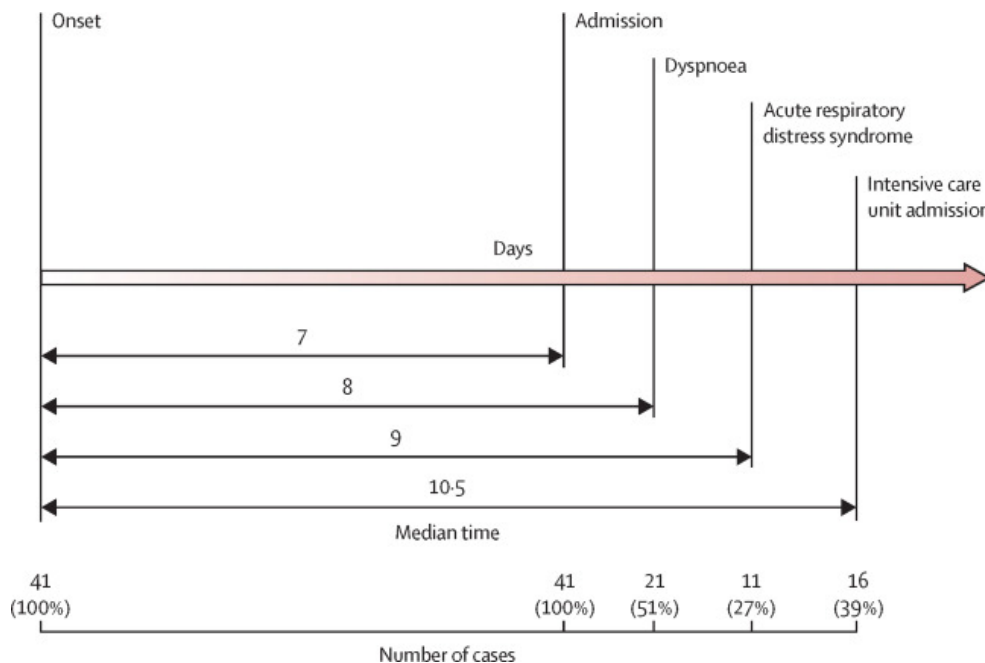
首例病人出現在12月1日	●	首例病人出現在12月8日
首例病人與海鮮市場無關	●	首例病人與海鮮市場有關
前4例有3例與海鮮市場無關	●	該內容未提及
41例中超過1/3無市場無關	●	該內容未提及

大紀元  
製圖

So sánh Tài liệu của Lancet và Thông báo chính thức của CCP

Nhà khoa học về bệnh truyền nhiễm Daniel R. Lucey thuộc Đại học Georgetown ở Hoa Kỳ đã viết một bài báo trên *The Lancet* rằng nếu dữ liệu trong bài báo là chính xác, trường hợp đầu tiên phải là vào tháng 11 năm 2019. Vì vậy, bệnh nhân đầu tiên đã bị nhiễm bệnh virus trong một tháng, bởi vì có một thời gian ủ

bệnh sau khi nhiễm trùng và trước khi các triệu chứng xuất hiện. Một số chuyên gia trước đây đã nói rằng thời gian ủ bệnh của New coronavirus là khoảng 10 đến 14 ngày.



Mốc thời gian của các trường hợp 2019-nCoV sau khi phát bệnh. Nguồn: nghiên cứu trên được công bố trên *The Lancet*

Rõ ràng, điều này có nghĩa là virus đã lây lan âm thầm giữa một số nơi ở Vũ Hán và một số người trước khi các trường hợp tập trung ở chợ thuỷ hải sản Nam Trung Quốc bắt đầu xuất hiện vào ngày 15 tháng 12. Lucey chỉ ra một cách thẳng thắn: *Trung Quốc phải nhận ra rằng dịch bệnh này không bắt nguồn từ dịch bệnh này trong chợ thuỷ hải sản Nam Trung Quốc ở Vũ Hán*.

Một trong những đồng tác giả của *The Lancet* là một giáo sư tại Đại học Y khoa Capital của Bắc Kinh, Cao Bin cũng đáp lại *Science*, một trang web tin tức khoa học Mỹ: “Đó là tương đối rõ ràng rằng (Đông) Chợ thuỷ hải sản không phải là duy nhất nguồn mới của coronavirus. Nhưng thành thật mà nói, chúng ta vẫn không biết virus đến từ đâu. Bây giờ có vẻ như rõ ràng rằng [Chợ] thuỷ hải sản không phải là nguồn gốc duy nhất của virus”, ông đã viết trong một email cho Khoa học.

Điều đáng chú ý là các tác giả của cả *Tạp chí Y học The Lancet* và *New England* đều là bác sĩ và chuyên gia y tế ở Trung Quốc đại lục. Ngược lại, thực tiễn của nhóm chuyên gia quốc gia của CCP (the Chines Communist Party) cho thấy họ dường như cố ý hoặc vô tình bỏ qua thông tin cực kỳ quan trọng này.

### 1.5 Tiêu chuẩn chẩn đoán

Nhóm chuyên gia đầu tiên của Ủy ban Y tế Quốc gia đã đến Vũ Hán sớm nhất là vào ngày 31 tháng 12 năm 2019. Theo một cuộc phỏng vấn với Caixin, Bệnh viện Trung Nam Đại lục của Đại học Vũ Hán, ông Peng Zhiyong, giám đốc của Critical Care Medicine đã xác nhận rằng nhóm các chuyên gia điều tra bệnh viện sau khi Vũ Hán Jinyintan xây dựng một bộ tiêu chí chẩn đoán: có tiền sử tiếp xúc với Chợ thủy hải sản Nam Trung Quốc; có triệu chứng sốt; toàn bộ trình tự bộ gen. Tất cả ba tiêu chí được yêu cầu để xác nhận chẩn đoán.

#### 專家組制定的三條標準

大陸財新網對彭志勇（武漢大學中南醫院的重症醫學科主任）進行了採訪，他說道：

此前，國家衛健委的專家組已經到金銀潭醫院做了調查，做了一套診斷標準。要有華南海鮮市場的接觸史，要有發燒症狀，全基因測序，這三條都達到才能確診，尤其是第三點，非常苛刻，實際上極少有人能去做基因組測序。

#### 國家衛健委專家組制定的三條標準

- 01 要有華南海鮮市場的接觸史
  - 02 要有發燒症狀
  - 03 全基因測序
- 三條標準，缺一不可

內容來源：財新網 <http://china.caixin.com/2020-02-05/101511802.html>

（財新傳媒由前《財經》雜誌總編輯胡舒立創建，是中國知名財經新聞及資訊服務媒體。）

大紀元  
製圖

*Three indicators for diagnosis of COVID-19 confirmed by the first group of national experts*

*Ba chỉ số chẩn đoán COVID-19 được xác nhận bởi nhóm chuyên gia quốc gia đầu tiên*

Ông Peng Zhiyong nói rằng tiêu chuẩn này không được sửa đổi cho đến khi nhóm chuyên gia thứ hai như Zhong Nanshan đến Vũ Hán vào ngày 18.

Điều này đặt ra một vấn đề không thể giải thích: nên hiểu chi tiết về 41 trường hợp được điều tra bởi *The Lancet* trong nhóm chuyên gia đầu tiên. Bởi vì trong thông báo chính thức của Ủy ban Y tế Vũ Hán, từ ngày 10 tháng 1 đến ngày 17 tháng 1, số lượng xác nhận 41 trường hợp đã không thay đổi.

**Tại sao nhóm chuyên gia yêu cầu rằng "có tiền sử tiếp xúc với chợ thủy hải sản" với tiêu chuẩn chẩn đoán khi biết rằng ít nhất một phần ba các trường hợp không liên quan đến Chợ thủy hải sản?**

Những người có một ít kiến thức y tế về các bệnh truyền nhiễm đều biết rằng việc xác định nguồn gốc thực sự của các bệnh truyền nhiễm là một trong ba chìa khóa để ngăn ngừa và kiểm soát các bệnh truyền nhiễm. Vì có bằng chứng dịch tễ học rất rõ ràng và phán đoán của các chuyên gia đầu tiên tham gia điều tra dịch bệnh, cả hai đều đồng ý rằng Chợ thủy hải sản Nam Trung Quốc không phải là nguồn gốc của virus, tại sao các chuyên gia chẩn đoán tiêu chuẩn phải bắt buộc có lịch sử liên hệ Chợ thủy hải sản?

## **2. Bằng chứng virus học: Biến đổi gen ở Vũ Hán New coronavirus COVID-19**

### **2.1 Protein E**

Ngày 10 tháng 1 là một ngày quan trọng. Vào ngày này, Trung Quốc đã chính thức công bố toàn bộ trình tự gen của Vũ Hán Coronavirus cho thế giới. Các chuyên gia về virus học hàng đầu thế giới đã ngay lập tức tiến hành nghiên cứu chuyên sâu về loại virus bí ẩn này và bắt đầu công bố các báo cáo nghiên cứu của riêng họ về virus corona mới.



GreatGameIndia  
@GreatGameIndia

In March 2019, in mysterious event a shipment of exceptionally virulent viruses from Canada's NML ended up in China. The event caused a major scandal with Bio-warfare experts questioning why Canada was sending lethal viruses to China. #CoronaVirusCanada / Vào tháng 3 năm 2019, trong một sự kiện bí ẩn, một lô hàng virus độc hại đặc biệt từ Canada NML đã kết thúc tại Trung Quốc. Sự kiện này đã gây ra một vụ bê bối lớn với các chuyên gia về chiến tranh sinh học đặt câu hỏi tại sao Canada lại gửi virus gây chết người đến Trung Quốc. #CoronaVirusCanada



*Canada Investigates China's Biological Espionage | GreatGameIndia*

*Canada has launched an investigation into China's Biological Espionage. Bio-warfare experts question why Canada was sending lethal viruses to China./ Canada điều tra gián điệp sinh học của Trung Quốc | Canada đã mở một cuộc điều tra về gián điệp sinh học của Trung Quốc. Các chuyên gia về chiến tranh sinh học đặt câu hỏi tại sao Canada lại gửi virus gây chết người đến Trung Quốc.*

Sau khi phân tích tổng thể về gen Vũ Hán coronavirus, một nhóm chuyên gia Hy Lạp đã công bố một báo cáo vào ngày 27 tháng 1 năm 2020 nói rằng họ đã nghiên cứu và phân tích mối quan hệ di truyền của virus Vũ Hán và phát hiện ra rằng các gen của virus coronavirus mới không có mối quan hệ di truyền chặt chẽ với các loại virus khác trong thể hệ con *sarbecovirus* và virus này có một phân đoạn trung gian đặc biệt mà không có loại coronavirus nào khác và gen này là chìa khóa để giúp virus xâm nhập tế bào chủ.

Những phát hiện nghiên cứu này chỉ ra rằng virus Vũ Hán là một loại coronavirus mới và đã lật đổ giả định ban đầu của tác giả



rằng virus Vũ Hán có nguồn gốc từ các đột biến tự nhiên ngẫu nhiên giữa các loại coronavirus khác nhau. Nói cách khác, tác giả tin rằng virus Vũ Hán không tiến hóa tự nhiên.

Những phát hiện của các chuyên gia Hy Lạp không đơn độc. Ngay từ ngày 07 tháng 1, Viện sĩ Zhang Yongzhen của Trung tâm Trung Quốc Kiểm Soát và Phòng Ngừa Bệnh Tật và Trường Y tế công cộng của Đại học Fudan nộp một giấy chung với tạp chí *Nature* và công bố nó vào ngày 3 tháng hai. **Giấy đề nghị rõ ràng rằng vi rút Vũ Hán có mối quan hệ họ hàng gần nhất với hai mẫu virus dơi Zhoushan của quân đội Trung Quốc là CoVZC45 và CoVZXC21** Trong số đó, danh tính trình tự nucleotide của virus Vũ Hán và virus CoVZC45 là 89,1%, và thậm chí cho thấy sự tương tự 100% axit amin trong nsp7 và protein vỏ (protein E).

47 **Supplementary Table 3.** Amino acid identities of the selected predicted gene products between the novel coronavirus (WHCV) and known  
48 betacoronaviruses.

CoV	Strain	Amino acid identity (%)																					
		nsp1	nsp2	nsp3	nsp4	nsp5	nsp6	nsp7	nsp8	nsp9	nsp10	nsp11	nsp12	nsp13	nsp14	nsp15	nsp16	S	ORF3	E	M	ORF8	N
Sarbecovirus	Bat-SL-CoVZC45	84.4	95.3	94.4	96.8	99.0	97.9	100	97.3	97.3	97.1	85.7	93.9	99.3	96.3	99.0	98.0	32.3	90.9	100	98.7	94.3	96.0
	SARS-CoV-Tor2	95.6	68.3	77.3	79.9	31.2	87.2	98.8	97.3	97.3	97.1	85.7	96.3	99.8	95.1	88.7	93.3	77.2	72.7	96.1	91.0	28.9	91.0
	BM48-10/BQR/2008	81.7	62.5	72.9	81.3	94.1	83.8	93.2	96.3	98.2	94.3	78.6	95.4	97.8	93.2	89.9	88.6	73.2	63.6	93.4	87.9	/	88.2
	WIV1	85.0	67.3	77.8	80.3	95.8	86.9	100	97.3	97.3	97.0	85.7	96.4	99.8	95.4	89.0	93.0	78.3	74.5	96.1	90.1	58.2	91.0
	ITMC13	78.9	68.9	76.8	81.3	94.8	85.9	98.8	96.3	97.3	97.1	85.7	96.4	98.5	94.9	88.2	92.6	74.3	68.4	92.1	90.5	/	90.0
Mebecovirus	ErCoV	16.5	18.6	36.1	42.4	49.2	34.6	60.2	52.8	50.6	60.7	46.2	71.3	71.1	65.6	58.0	65.8	29.3	/	48.8	43.1	/	46.8
	Ty-BatCoV-HKU4	17.0	17.5	30.6	27.2	68.6	34.9	54.2	50.8	51.8	59.0	53.8	79.8	70.9	63.0	58.9	65.4	31.7	/	48.8	42.0	/	47.0
	MERS-CoV	16.6	18.3	36.1	39.2	58.8	33.9	55.4	52.8	53.6	58.6	46.2	71.3	71.6	65.6	58.9	66.1	27.4	/	33.5	46.6	/	47.0
	PS-BatCoV_HKU5	17.5	18.1	30.6	39.8	52.3	34.3	56.6	51.3	48.2	56.1	46.2	71.6	71.7	62.8	51.5	65.4	27.5	/	32.9	41.6	/	45.2
	Ba-BatCoV_GCCDC1	24.1	16.2	28.8	40.9	52.0	36.2	66.3	57.6	55.4	62.9	38.5	72.3	73.7	61.6	49.7	63.5	32.1	/	32.4	43.4	/	39.7
Hibecovirus	Ba-BatCoV_HKU9	28.4	18.1	30.4	43.3	58.2	33.6	67.5	57.6	58	65.0	38.3	72.6	74.0	61.2	47.5	62.1	31.6	/	28.4	39.6	/	41.3
	Bat_Hp-BatCoV	23.8	27.9	38.6	53.8	48.2	44.8	72.3	60.3	61.6	68.6	69.2	77.5	80.7	79.2	61.6	67.8	42.8	/	53.9	52.5	/	50.1
Embecovirus	HCuV_HKU1	12.7	13.8	22.2	41.3	47.9	28.5	47.6	46.8	46.4	52.6	61.3	67.0	65.3	58.3	49.1	63.4	27.4	/	28.4	36.4	/	31.6
	HCuV_GC43	15.2	18.8	22.8	41.5	58.8	28.5	49.4	47.4	46.4	51.8	61.3	65.4	67.9	58.0	47.6	66.1	28.6	/	22.4	46.1	/	32.0
	CBRCoV_HKU24	16.5	13.5	22.3	40.4	99.0	29.9	48.2	46.4	44.5	54.0	61.3	67.0	68.8	59.2	48.8	65.1	27.8	/	25.0	37.2	/	31.1
	MBIV	17.4	19.1	23.8	41.3	58.2	28.5	44.6	47.3	48.2	52.6	61.3	65.8	67.3	58.1	48.2	63.1	28.1	/	25.0	39.2	/	32.4

*A paper submitted by Zhang Yongzhen and others to the journal Nature showed that the similarity between E-protein of Wuhan New Crown Virus and Zhoushan Bat CoVZC45 virus was as high as 100%. (Screenshot of Nature paper)*

Một bài báo được gửi bởi Zhang Yongzhen và những người khác cho tạp chí *Nature* cho thấy sự tương đồng giữa E-protein của Virus Vũ Hán New Crown và virus Zhoushan Bat CoVZC45 cao tới 100%. (Ảnh chụp màn hình của tờ *Nature*)

Ngay sau đó, một số chuyên gia đã sử dụng công cụ so sánh *BLAST* từ Trung tâm Thông tin Công nghệ sinh học của Viện Y tế Quốc gia (NCH) để thực hiện liên kết gen trên trình tự bộ gen do CCP đệ trình lần thứ ba vào ngày 12, xác nhận Zhang Yongzhen khám phá.

U.S. National Library of Medicine  
National Center for Biotechnology Information

BLAST<sup>®</sup> = blastp suite = results for RID-2B1AGCSF01R

Job Title: gb|QHD43418.1  
RID: 2B1AGCSF01R  
Program: BLASTP  
Database: nr  
Query ID: QHD43418.1  
Description: envelope protein [Wuhan seafood market pneumonia virus]  
Molecule type: amino acid  
Query Length: 75

Filter Results  
Organisms: only top 20 will appear  
Percent Identity: to  
E value: to  
Query Coverage: to

Sequences producing significant alignments

Description	Max Score	Total Score	Query Cover	E value	Percent Identity	Accession
envelope protein [Bat SARS-like coronavirus]	144	144	100%	2e-43	100.00%	AVP78033.1
E protein [Severe acute respiratory syndrome-related coronavirus]	137	137	100%	1e-40	94.74%	AP043581.1
envelope protein [Bat SARS-like coronavirus RaGHCE14]	134	134	100%	1e-39	94.74%	AF240089.1
small envelope protein [Coronavirus BfR BataCoVSC2018]	134	134	100%	2e-39	94.74%	QDF43016.1
protein E [Severe acute respiratory syndrome-related coronavirus]	134	134	100%	2e-39	94.74%	NP_839554.1
small membrane protein [Bat SARS coronavirus HKU23-7]	133	133	100%	5e-39	93.42%	AD834037.1

The information in the pink highlights shows that the E-protein similarity between the virus sample of Wuhan Seafood Market and the virus sample numbered "AVP78033.1" is as high as 100%.

Thông tin trong các điểm nổi bật màu hồng cho thấy sự tương đồng về protein E giữa mẫu virus của Chợ thủy hải sản Vũ Hán và mẫu virus được đánh số là AV AV78033.1.

## 2.2 Virus Zhoushan

Một nhóm các chuyên gia từ Trung tâm Bệnh Trung Quốc, Lu Roujian cũng xuất bản một bài báo trong tạp chí *The Lancet* vào ngày 30, nói rằng sự giống nhau chung giữa New Vũ Hán Coronavirus và một coronavirus trước đó được tìm thấy trong con dơi Zhoushan ở Chiết Giang, Trung Quốc, là rất cao - lên đến 88 %.

Các coronavirus mang trên dơi Zhoushan lần đầu tiên được phát hiện bởi các chuyên gia tại Viện nghiên cứu y học quân sự của Quân khu Nam Kinh. Viện đã xuất bản một bài báo bằng tiếng Anh vào năm 2018, thông báo về việc phát hiện ra một loại coronavirus mới ở dơi Zhoushan - Zhoushan bat SARS Coronavirus. Để dễ hiểu, bài viết này được gọi tắt là virus Zhoushan.

Điểm nổi bật màu xanh lá cây cho thấy số mẫu virus Số AVP78033.1, là của Viện nghiên cứu y học quân sự thuộc Quân khu Nam Kinh, là virus Zhoushan.

NCBI Resources How To

Protein Protein Advanced

GenPept

**envelope protein [Bat SARS-like coronavirus]**

GenBank: AVP78033.1

[Identical Proteins](#) [FASTA](#) [Graphics](#)

Go to:

LOCUS	AVP78033	75 aa	linear	VRL 28-MAR-2018
DEFINITION	envelope protein [Bat SARS-like coronavirus].			
ACCESSION	AVP78033			
VERSION	AVP78033.1			
DBSOURCE	accession <a href="#">MG772933.1</a>			
KEYWORDS	.			
SOURCE	Bat SARS-like coronavirus			
ORGANISM	<a href="#">Bat SARS-like coronavirus</a> Viruses; ssRNA viruses; ssRNA positive-strand viruses, no DNA stage; Nidovirales; Coronaviridae; Coronavirinae; Betacoronavirus.			
REFERENCE	1 (residues 1 to 75)			
AUTHORS	Hu,D.			
TITLE	Genomic Characterization and Infectivity of A Novel SARS-like coronavirus in Chinese Bats			
JOURNAL	Unpublished			
REFERENCE	2 (residues 1 to 75)			
AUTHORS	Hu,D.			
TITLE	Direct Submission			
JOURNAL	Submitted (05-JAN-2018) Institute of Military Medicine Nanjing Command, Nanjing, Institute of Military Medicine Nanjing Command, Nanjing, NO. 293 East Zhongshan Road, Nanjing, JangSu 210002, China			
FEATURES	Location/Qualifiers			
source	1..75 /organism="Bat SARS-like coronavirus"			

Sean Lin, tiến sĩ vi sinh học và là cựu giám đốc của Phòng thí nghiệm virus học tại Viện quân đội Walter Reed cũ ở Hoa Kỳ, tin rằng việc các chuỗi axit amin của protein E của virus Vũ Hán và virus Zhoushan là 100% giống hệt nhau Bởi vì protein E có tác

dụng không thể thiếu đối với hình thái virus, sự lắp ráp, nảy chồi và khả năng gây bệnh của virus coronavirus loại. Nếu virus thay đổi vật chủ, nhiều cytokine sẽ thay đổi và protein E nhất thiết sẽ có những thay đổi tương ứng để điều chỉnh sự tổng hợp và khả năng gây bệnh của virus.

Ông còn chỉ ra: Các gen của protein E và các gen của protein S nằm liền kề nhau. Trong quá trình sao chép RNA của virus, hai gen này cũng cần hoàn thành việc sản xuất RNA thể hệ con (RNA thể hệ con) để hoàn thành sao chép, cũng liên quan đến các yếu tố nội bào tương tự và RNA polymerase của virus, do đó, tỷ lệ lỗi sao chép gen trong quá trình này cũng là giống. Do đó, không có lý do gì trong quá trình sao chép virus tự nhiên, protein S có nhiều đột biến khác nhau, trong khi protein E vẫn hoàn toàn giống với toàn bộ vật chủ được biến đổi. Điều này về cơ bản là không thể xảy ra một cách tự nhiên.

Bà Dong Yuhong, tiến sĩ về bệnh truyền nhiễm từ Đại học Bắc Kinh và Giám đốc khoa học của công ty công nghệ sinh học Thụy Sĩ SunRegen Health AG, đã chỉ ra rằng theo bài báo của Lu Roujian đăng trên tờ *The Lancet*, một số coronavirus thuộc họ coronaviridae và virus Vũ Hán là gần đây nhất. Các chuỗi axit amin của protein (S, M, N, v.v.) không thể đạt được thỏa thuận hoàn chỉnh 100%, chẳng hạn như protein E, với mức độ thỏa thuận từ 73,2% đến 98,6%. Vậy thì, tại sao protein E này duy trì sự nhất quán nhiều như vậy với cái gọi là virus dơi tổ tiên của virus ở virus Vũ Hán đáng để nghiên cứu thêm (Lu et al 2020 Lancet).

Cô nói rằng so với protein S, M hoặc N, mặc dù protein E là protein nhỏ nhất trong số các protein cấu trúc chính của virus Vũ Hán, chức năng của nó không thể bị đánh giá thấp. Trong chu kỳ nhân lên của virus Vũ Hán, protein E được thể hiện với số lượng lớn trong các tế bào người bị nhiễm bệnh. Hầu hết các protein E được đặt tại các vị trí quan trọng của sự vận chuyển tế bào của con người, chẳng hạn như mạng lưới nội chất và bộ máy Golgi, và tham gia vào quá trình lắp ráp các coronavirus. Và mọc mầm. Khi thiếu tái tổ hợp protein E, sự trưởng thành của virus bị giảm hoặc



khả năng sinh sản không mạnh, cho thấy sự tương tác quan trọng giữa protein E và tế bào chủ, đặc biệt là trong quá trình sinh sản, trưởng thành của virus. Tầm quan trọng của khả năng truyền bệnh cũng phải là một protein chức năng quan trọng quyết định khả năng lây lan của virus trong các chủng tộc người.

Tóm lại, virus Vũ Hán và virus Zhoushan cho thấy sự thống nhất hoàn hảo của protein E, rất khó để giải thích với sự biến đổi tự nhiên của Hô.



GreatGameIndia

@GreatGameIndia

Replying to @GreatGameIndia

Four months later in July 2019, group of Chinese virologists were forcibly dispatched from Canadian lab - the only level-4 facility equipped to handle the world's deadliest diseases where #Coronavirus sample from the first Saudi patient was being examined. / Bốn tháng sau vào tháng 7 năm 2019, nhóm các nhà virus học Trung Quốc đã bị buộc rời khỏi phòng thí nghiệm Canada - cơ sở cấp 4 duy nhất được trang bị để xử lý các bệnh nguy hiểm nhất thế giới, trong đó mẫu #Coronavirus từ bệnh nhân Saudi đầu tiên đang được kiểm tra.



Chinese Researchers Caught Stealing Coronavirus From Canadian Lab | GreatGameIndia

Chinese researchers have been caught stealing Coronavirus from a Canadian laboratory prompting an investigation into Biological Espionage

Các nhà nghiên cứu Trung Quốc đã đánh cắp coronavirus từ phòng thí nghiệm Canada | GreatGameIndia

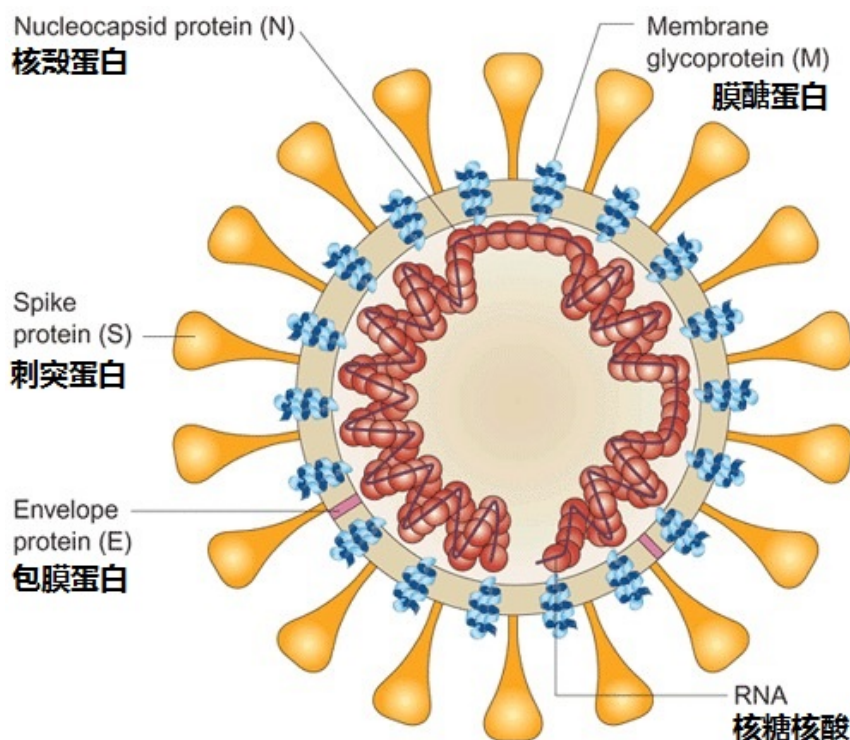


Các nhà nghiên cứu Trung Quốc đã bị bắt khi đánh cắp coronavirus từ một phòng thí nghiệm ở Canada, thúc đẩy một cuộc điều tra về gián điệp sinh học  
greatgameindia.com

## 2.3 Protein S

Vào ngày 21 tháng 1 năm 2020, một bài báo được xuất bản bởi các nhà nghiên cứu trong Phòng thí nghiệm trọng điểm về virus học và miễn dịch phân tử của Viện Khoa học Trung Quốc Pasteur thuộc Viện Khoa học Trung Quốc Khoa học Đời sống Trung Quốc đã đề cập đến một hiện tượng quan trọng: **Trình tự một phần quan trọng của protein S của virus rất tương đồng với virus SARS**.

Protein S là gì? Đó là nấm nhỏ trên bề mặt của virut trong các hình ảnh của coronavirus đã được biết đến rộng rãi. Protein S này (còn được gọi là protein tăng đột biến, protein gai) là công cụ quan trọng nhất để coronavirus xâm chiếm tế bào người.



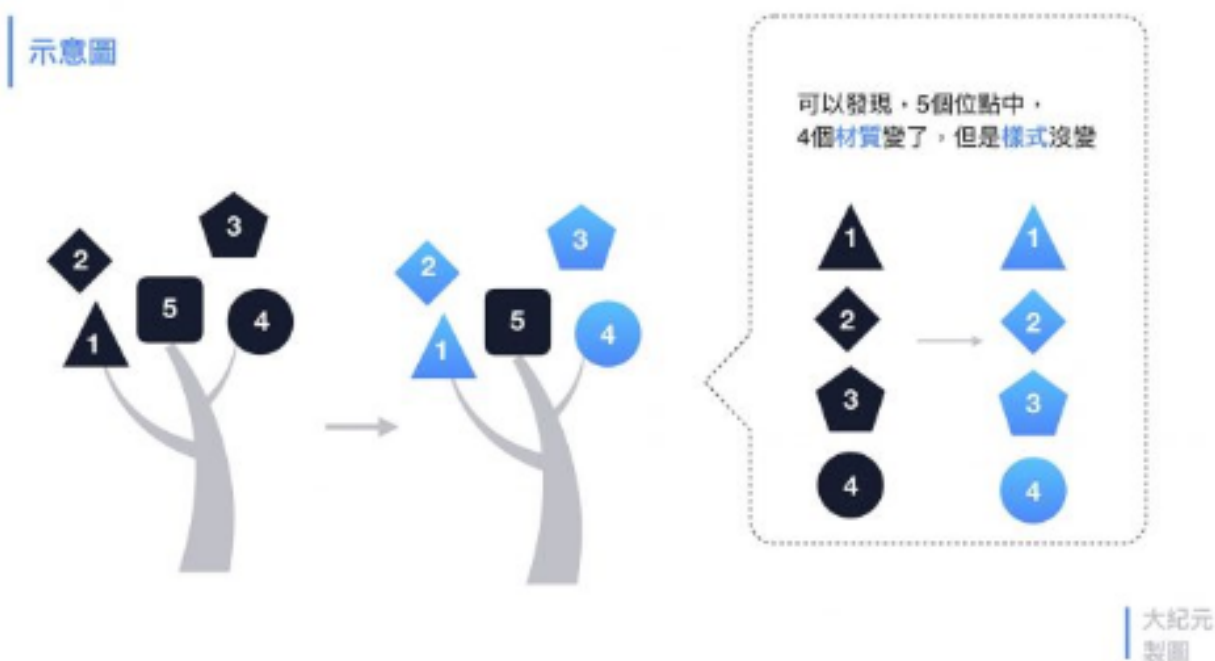
Sơ đồ cấu trúc của virus SARS (Joseph S Malik Peiris, Y học tự nhiên)

Các chuyên gia của Viện Pasteur đã phát hiện ra rằng dư lượng 438, 472, 479, 487 và 491 trong protein S của virus SARS

nằm ở giao diện của phức hợp thụ thể và được coi là vị trí quan trọng của sự lây truyền giữa các loài và giữa các cá nhân.

Đáng ngạc nhiên, có dư lượng 438, 472, 479 và 487 trong protein S của virus Vũ Hán khác với virus SARS, nhưng sự khác biệt này không ảnh hưởng đến thành phần cấu trúc của protein S. Điều đó có nghĩa là, protein S của virus Vũ Hán vẫn duy trì cấu trúc giống như protein S của virus SARS và nó vẫn có thể chia sẻ gần như cấu trúc 3-D trong miền RBD như SARS và sử dụng nó để giao tiếp với con người tế bào. Các thụ thể ACE2 liên kết để dễ dàng xâm chiếm cơ thể.

Đây là một biến thể di truyền có thể được mô tả với độ chính xác. Nó giống như một chiếc chìa khóa với 5 chiếc răng kẹp, trong đó vật liệu của 4 chiếc răng đã thay đổi, nhưng hình dạng tổng thể của chiếc chìa khóa vẫn được duy trì hoàn hảo, và chiếc chìa khóa vẫn có thể mở ra cho cơ thể con người.



*Schematic diagram of the abnormality of the 4 site residues of the new Coronavirus S protein*

Sơ đồ nguyên lý về sự bất thường của dư lượng 4 vị trí của protein coronavirus S mới

Tiến sĩ Eric Feigl-Ding, một nhà dịch tễ học cao cấp tại Đại học Harvard ở Hoa Kỳ, cũng nhận thấy sự bất thường này. Ông đã đăng trên Twitter vào ngày 28 tháng 1, trích dẫn những phát hiện mới nhất của các học giả Hy Lạp, nói rằng virus này không phải do một corona gây ra. Virus này được tạo ra bởi các kết hợp ngẫu nhiên gần đây và một số phần là không tương thích với các loại coronavirus. Trình tự giữa của bộ gen của nó chưa từng thấy trước đây trong coronavirus và có thể mã hóa một loại protein tăng đột biến (protein S) xâm lấn tế bào chủ.

#### 2.4 Đồng hồ tiến hóa phân tử và tổ tiên chung gần đây

Đồng hồ tiến hóa phân tử là một công nghệ ước tính tốc độ tiến hóa của các loài thông qua tốc độ đột biến gen. Nó có thể được bắt nguồn từ hàng triệu năm tiến hóa, và loài gần có thể theo dõi nguồn gốc của mầm bệnh truyền nhiễm hiện nay.

Roujian Lu thuộc Viện phòng chống virus CDC Trung Quốc đã xuất bản một bài báo trên *tạp chí The Lancet* vào ngày 30 tháng 1 năm 2020 và thấy rằng trình tự của coronavirus mới từ các bệnh nhân khác nhau trong bệnh viêm phổi Vũ Hán gần như giống nhau. Danh tính trình tự là hơn 99,9%. Phát hiện này chỉ ra rằng coronavirus mới được sản xuất từ một nguồn gốc duy nhất trong một khoảng thời gian ngắn và được phát hiện tương đối nhanh chóng.

Kristian Andersen, một nhà sinh học phân tử tại Viện nghiên cứu Scripps nổi tiếng thế giới, cũng đã xuất bản một bài báo có tiêu đề *Đồng hồ Sinh học dựa trên 27 phân tích di truyền và thời gian tổ tiên chung gần đây*. Phân tích 27 gen hoàn chỉnh được công bố công khai của virus Vũ Hán ở Trung Quốc, cho thấy bộ gen của 24 mẫu từ Vũ Hán, Thái Lan, Thâm Quyển và các nơi khác rất phù hợp, cho thấy sự biến đổi gen rất hạn chế, cho thấy tất cả các chủng virus này có tương đối tổ tiên chung mới.

Anderson tin rằng virus xâm nhập vào người từ một nguồn duy nhất và sau đó truyền từ người này sang người khác. Đây có thể là một động vật đơn lẻ hoặc một nhóm nhỏ các động vật bị

nhằm gần đây bị nhiễm bệnh cho một người hoặc một nhóm nhỏ. Tất cả các trường hợp được phân tích là người với người, và không có động vật với người.



GreatGameIndia

@GreatGameIndia

Replying to @GreatGameIndia

National Microbiology Laboratory scientist who was escorted out of the Canadian lab along with her husband, another biologist, and members of her research team is believed to be a Chinese Bio-Warfare agent Xiangguo Qiu. Nhà khoa học Phòng thí nghiệm Vi sinh học Quốc gia, người được hộ tống ra khỏi phòng thí nghiệm Canada cùng với chồng, một nhà sinh vật học khác, và các thành viên trong nhóm nghiên cứu của cô được cho là một đặc vụ Chiến tranh Sinh học Trung Quốc Xiangguo Qiu



*Dr. Xiangguo Qiu is a Chinese biological warfare agent caught smuggling Coronavirus from Canada's National Microbiology Laboratory to China.*

*Tiến sĩ Xiangguo Qiu là một tác nhân chiến tranh sinh học của Trung Quốc bị bắt quả tang buôn lậu coronavirus từ Phòng thí nghiệm vi sinh quốc gia Canada sang Trung Quốc.*

*greatgameindia.com*

Theo đồng hồ tiến hóa phân tử, Andersen đã tính toán thời gian từ khi virus ở người bắt đầu lây lan. Trung vị là ngày 2 tháng 12 và sớm nhất có thể là ngày 1 tháng 10. Điều này tương đương với ngày 1 tháng 12 khi CCP chính thức tuyên bố tham vấn đầu

tiên. Mặc dù không có bài báo nào suy đoán về nguồn gốc của virus, khả năng nhiều nguồn gốc động vật rõ ràng đã bị loại trừ.

### **3. Shi Zhengli: Bí ẩn về sự lây nhiễm giữa các loài coronavirus**

Một sự thật đáng chú ý là vi rút coronavirus do dơi mang theo không thể lây nhiễm trực tiếp vào cơ thể người, chứ chưa nói đến một loại vi rút có thể lây truyền từ người sang người. Nhưng với ý kiến rằng coronavirus Vũ Hán được tạo ra trong phòng thí nghiệm và ngày càng nghi ngờ về vị trí chính thức của CCP, Viện Virus học Vũ Hán và chuyên gia virus nổi tiếng Shi Zhengli của viện nghiên cứu bước vào tầm nhìn công khai.

#### **3.1 Mối quan hệ đặc biệt giữa protein S và thụ thể ACE2**

Sau khi dịch SARS bùng phát vào năm 2003, Shi Zhengli đã lãnh đạo nhóm thu thập mẫu dơi trên toàn quốc để phát hiện virus và công bố kết quả trên tạp chí *Nature* vào năm 2013. Năm 2017, nhóm của Shi Zhengli đã xác định rằng virus SARS được tái tổ hợp từ một số loài dơi Các coronavirus giống như SARS và từng gây lo ngại rộng rãi.

Do nghiên cứu lâu dài về dơi và virus SARS, Shi Zhengli chắc chắn đã trở thành người có thẩm quyền trong lĩnh vực nghiên cứu của coronavirus, và tập trung nhiều hơn vào lĩnh vực lây nhiễm coronavirus trên các loài.



[GreatGameIndia](#)

[@GreatGameIndia](#)

Dr Xiangguo Qiu is married to another Chinese scientist Dr. Keding Cheng - the couple is responsible for infiltrating Canada's NML with Chinese agents as students from a range of Chinese scientific facilities linked to China's Biological Warfare Program. Tiến sĩ Xiangguo Qiu kết hôn với một nhà khoa học Trung Quốc khác, Tiến sĩ Kting Cheng - cặp vợ chồng chịu trách nhiệm xâm nhập Canada CS NML với các đặc vụ Trung Quốc khi là sinh viên từ một loạt các cơ sở khoa học Trung Quốc liên kết với Chương trình Chiến tranh Sinh học Trung Quốc.





*China's Biological Warfare Program is believed to be in an advanced stage that includes research and development, production and weaponization capabilities.*

*Chương trình Chiến tranh Sinh học của Trung Quốc được cho là đang ở giai đoạn tiên tiến bao gồm các khả năng nghiên cứu và phát triển, sản xuất và vũ khí hóa.*

*greatgameindia.com*

Điều hấp dẫn là nghiên cứu của Shi Zhengli về protein coronavirus S, họ chiếu của họ gia đình vì đã lây nhiễm cho con người qua các loài, bắt đầu từ năm 2010. Nhóm của Shi Zhengli đã tiến hành một nghiên cứu dài hạn, có hệ thống và sâu sắc về cách thức coronavirus có thể lây lan qua các rào cản loài.

Vào năm 2010, nhóm của Shi Zhengli đã xuất bản một bài báo để kiểm tra độ nhạy cảm của các loại dơi ACE2 khác nhau đối với protein tăng đột biến SARS-CoV (protein S) của người sử dụng pseudovirus virus SARS sống và HIV (AIDS). Trong thí nghiệm, họ cũng đã thay đổi một số axit amin chính của dơi ACE2 để kiểm tra sự gắn kết của nó với protein S và tạo ra pseudovirus HIV / BJ01-S HIV với protein SAR01-virus SARS. **Điều này cho thấy nhóm của Shi Zhengli đã nhận ra mối quan hệ đặc biệt giữa protein S và thụ thể ACE2 .**

## 冠狀病毒如何跨物種感染？

將病毒的S蛋白比做一把鑰匙，叫鑰匙A



大紀元  
製圖

*How Coronavirus infects human cells with S protein*

*Làm thế nào coronavirus lây nhiễm tế bào người với protein S*

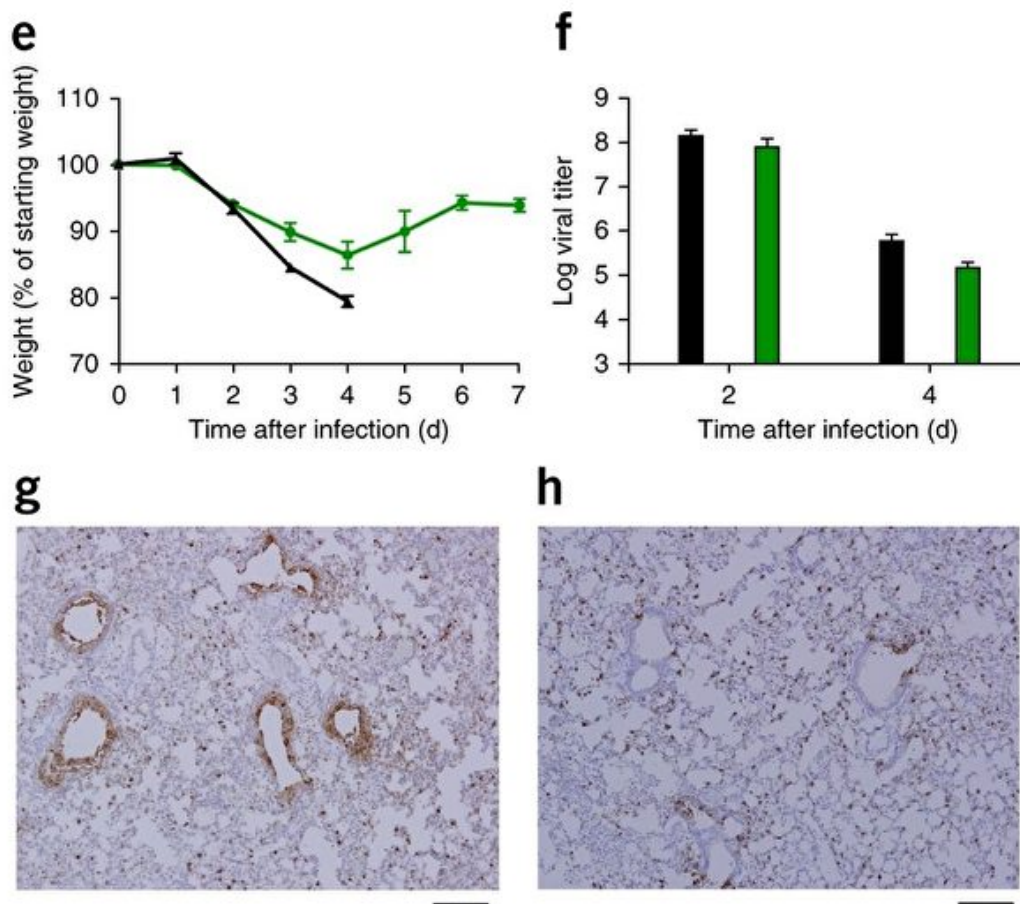
### 3.2 *Chìa khóa của Nhiễm trùng chéo loài coronavirus*

Vào ngày 30 tháng 10 năm 2013, nhóm của Shi Zhengli đã phát hành một bước đột phá mới trong nghiên cứu của coronavirus. Tạp chí *Nature* đã xuất bản bài báo có tựa đề "*Isolation và đặc tính của một loài dơi giống SARS sử dụng thụ thể ACE2*", từ nhóm nghiên cứu bao gồm Ge Xingyi, Shi Zhengli, Dasak và các chuyên gia khác từ Vân Nam. Toàn bộ trình tự bộ gen của coronavirus mới RUPSHC014 và Rs3367 được phân lập từ dơi hoa cú (dơi móng ngựa). Shi Zhengli đã cung cấp chuỗi protein và plasmid SHC014, đó là lĩnh vực chuyên môn của cô.

Trong nghiên cứu này, nhóm của Shi Zhengli cũng đã phân lập được một loại dơi sống thứ ba là coronavirus - loại coronavirus giống như SARS - từ các mẫu phân dơi, có tỷ lệ tương đồng trình tự 99,9% với virus R3333. Protein S của virus có thể liên kết với thụ thể ACE2 của con người thông qua điểm liên kết của thụ thể (RBD) và lây nhiễm trực tiếp virus SARS sang người mà không cần đến vật chủ trung gian như cây hương.

Đây chắc chắn là một bước đột phá quan trọng. Bước đột phá này cho thấy Shi Zhengli và những người khác ban đầu đã thành thạo khóa key của họ đối với coronavirus để vượt qua hàng rào loài và lây nhiễm trực tiếp vào cơ thể người.

Vào ngày 9 tháng 11 năm 2015, nhóm của Shi Zhengli từ Viện Virus học Vũ Hán đã xuất bản một bài báo trên tạp chí *Y học Tự nhiên* của Anh có tiêu đề, *một cụm dơi coronavirus giống như SARS cho thấy tiềm năng phát sinh của con người*. Nội dung chính là họ đã sản xuất thành công một loại virus tinh tinh tự sao chép, có chuột hoang SARS coronavirus thuộc loại protein coronavirus RspSHC014 đã nói ở trên có thể liên kết với ACE2 của con người và do đó có sức mạnh lây nhiễm mạnh mẽ giữa các loài. Trong các kết quả thí nghiệm, những con chuột bị nhiễm virus tổng hợp này có thể bị tổn thương nghiêm trọng ở phổi và không có cách chữa trị.



e là đường cong giảm cân của chuột bị nhiễm SARS coronavirus (màu đen) và virus chimeric mới (màu xanh lá cây) theo thời gian. f cho thấy sự nhân lên của virus trong phổi 2 và 4 ngày sau khi chuột bị nhiễm hai loại virus này. g và h hiển thị hình ảnh của tổn thương phổi ở chuột sau khi bị nhiễm vi rút SARS và vi rút tinh bột từ đường hô hấp, tương ứng. (Y học tự nhiên)

Đáng ngạc nhiên, các thí nghiệm thành công trên chuột chỉ là thử nghiệm của Shi Zhengli, và họ đang chuẩn bị tiến hành các thí nghiệm tiếp theo trên các loài linh trưởng. Động thái này chắc chắn là nguy hiểm, bởi vì rất dễ dàng để nghĩ liệu nhóm của Shi Zhengli có bắt chước cách sử dụng virus tinh tinh này để lây nhiễm vào cơ thể người hay không.

Bộ ba của Shi Zhengli về Nhiễm trùng chéo loài coronavirus

武漢P4研究所  
石正麗團隊的跨物種感染研究

2010年

石正麗團隊通過測試，發現冠狀病毒進入人體的「通道」

2013年

該團隊分析出S蛋白的全基因序列，這代表她掌握了打開「通道」的「鑰匙」

2015年

該團隊在小白鼠身上測試「鑰匙」，獲得成功

1. 成功製造了融合病毒
2. 在病毒身上嫁接了這把「鑰匙」
3. 成功的用此病毒在小白鼠身上試驗，實現了跨物種感染。

大紀元  
製圖

*Shi Zhengli's Trilogy on Coronavirus Cross-Species Infection*

### 3.3 Tranh cãi về học thuật

Luận án của Shi Zhengli nhanh chóng gây ra tranh cãi lớn trong thế giới học thuật. Simon Wain-Hobson, một nhà virus học tại Viện Pasteur ở Pháp, đã bày tỏ mối quan tâm này sâu sắc, nói với *Nature*: "*Rằng Nếu virus (mới) thoát ra, không ai có thể đoán trước được con đường của nó*".



Richard Ebright, một nhà sinh học phân tử và chuyên gia về sinh học tại Đại học Rutgers cho biết, "tác động duy nhất của nghiên cứu này là tạo ra một loại rủi ro không tự nhiên mới trong phòng thí nghiệm".

Nhưng tốc độ của Shi Zhengli rõ ràng không dừng lại. Vào ngày 14 tháng 11 năm 2018, Shi Zhengli đã được Trường Khoa học và Công nghệ Cuộc sống của Đại học Jiao Tong Thượng Hải mời làm bài phát biểu quan trọng có tựa đề "*Nghiên cứu về Coronavirus Dơi và nhiễm trùng giữa các loài*".

Trong bài phát biểu này, Shi Zhengli đã giới thiệu cách nhóm của cô sử dụng phân tích tái tổ hợp của virus để khám phá ra tổ tiên mới nhất của virus SARS ở người, có thể được tổ chức lại bởi ba chủng vi rút (WIV1, R4231 và R4081) trong hang dơi ở Vân Nam.

Điều đáng chú ý là báo cáo đã bị xóa khỏi trang web chính thức của Đại học Jiao Tong Thượng Hải mà không rõ lý do.



Ảnh chụp màn hình báo cáo đã bị xóa của Shi Zhengli trên trang web chính thức của Đại học Jiao Tong Thượng Hải

### 3.4 Virus dơi móng ngựa mới RaTG13



Vào ngày 23 tháng 1 năm 2020, tại thời điểm coronavirus mới bùng phát và Vũ Hán tuyên bố khóa máy, nhóm Shi Zhengli đã xuất bản một bài viết về phiên bản in sẵn *bioRxiv* của nền tảng có tiêu đề, "*Một đợt bùng phát viêm phổi liên quan đến một loại coronavirus mới có nguồn gốc dơi*". Báo cáo đề xuất rằng coronavirus mới có nguồn gốc từ dơi. Bài báo sau đó đã được công bố trên tạp chí *Nature* vào ngày 3 tháng 2.

Bài báo đề cập rằng coronavirus Vũ Hán mới sử dụng cùng các tế bào để xâm nhập vào thụ thể (ACE2) như SARS coronavirus, nghĩa là Coronavirus mới sử dụng cùng một "khóa" như SARS để mở cửa vào cơ thể con người.

Bài báo cũng tuyên bố rằng họ phát hiện ra rằng trình tự của coronavirus mới giống hệt 96,2% so với dòng coronavirus có số RaTG13 có nguồn gốc từ dơi móng ngựa Vân Nam.

Như mọi người đều biết, toàn bộ trình tự bộ gen của virus Vũ Hán do Trung tâm kiểm soát và phòng ngừa dịch bệnh quốc gia Trung Quốc tải lên là vào ngày 11 tháng 1. Vì vậy, nhóm Shi Zhengli đã có thể so sánh Virus Vũ Hán và "khóa" virus với độ tương tự cao nhất từ nhiều coronavirus trong ngân hàng virus chỉ trong 12 ngày, và cũng bị cô lập, đã tải lên ngân hàng gen và thậm chí đã viết một bài báo.

**So với 10 năm qua tìm ra nguồn virus SARS tự nhiên , nhóm của Shi Zhengli lần này nhanh chóng và hiệu quả một cách đáng ngạc nhiên.**

Một chi tiết đáng chú ý là Shi Zhengli đã gửi thông tin đăng ký của virus dơi RaTG13 vào ngày 27 tháng 1, cho thấy virus này đã được phân lập từ phân của dơi móng ngựa Vân Nam (dơi hoa cúc) vào đầu ngày 24 tháng 7 năm 2013. Nó đã được thu thập ba tháng trước đó Shi Zhengli đã xuất bản bài báo vào tháng 10 năm 2013, nhưng bài báo của Shi Zhengli không đề cập đến loại virus đặc biệt này.

Nói cách khác, "virus dơi móng ngựa mới RaTG13" cực kỳ quan trọng có khả năng là thủ phạm gây ra bệnh dịch, đã bị đóng băng trong phòng thí nghiệm Vũ Hán P4 trong bảy năm.

NCBI Resources How To

Protein Protein Advanced

GenPept Send

**spike glycoprotein [Bat coronavirus]**

GenBank: QHR63300.1

[Identical Proteins](#) [FASTA](#) [Graphics](#)

Go to:

LOCUS QHR63300 1278 aa linear VRL 29-JAN-2020

DEFINITION spike glycoprotein [Bat coronavirus].

ACCESSION QHR63300

VERSION QHR63300.1

DBSOURCE accession [MN996532.1](#)

KEYWORDS .

SOURCE Bat coronavirus

ORGANISM [Bat coronavirus](#)  
Viruses; Riboviria; Nidovirales; Coronavirineae; Coronaviridae;  
Coronavirinae; unclassified Coronavirinae.

REFERENCE 1 (residues 1 to 1278)

AUTHORS Zhu,Y., Yu,P., Li,B., Hu,B., Si,H.R., Yang,X.L., Zhou,P. and Shi,Z.L.

TITLE Direct Submission

JOURNAL Submitted (27-JAN-2020) CAS Key Laboratory of Special Pathogens, Wuhan Institute of Virology, Center for Biosafety Mega-Science, Chinese Academy of Sciences, No. 44 Xiao Hong Shan, Wuhan, Hubei 430071, China

FEATURES Location/Qualifiers

source 1..1278  
/organism="Bat coronavirus"  
/isolate="RaTG13"  
/isolation\_source="fecal swab"  
/host="Rhinolophus affinis"  
/db\_xref="taxon:1508220"  
/country="China"  
**/collection\_date="24-Jul-2013"**

Protein 1..1278  
/product="spike glycoprotein"

CDS 1..1278  
/gene="S"  
/coded\_by="MN996532.1:21518..25354"

ORIGIN

1 mflttkrtm fvflvllplv ssqcnlttr tqppaytns strgvypdk vfrssvlhlt  
61 qdlflpffsn vtwfhaihvs gtngikrfdn pvlpfndgvy fasteksnii rgwifgttld  
121 sktqsliliv natnvvikvc efqfcndpfl gvyyhknnks wmesefrvys sannctfeyv  
181 sqpflmdleg kqgnfknlr fvfknidgyf kiyskhtpin lvrdlppgfs aleplvdipi

Hồ sơ đệ trình virus cho thấy ngày thu thập của Virus New Horseshoe Bat Virus RaTG13 đã là ngày 24 tháng 7 năm 2013

**Tại sao "virus dơi móng ngựa mới" bị đóng băng trong bảy năm?** Không ai biết lý do cho việc này, nhưng Shi Zhengli hiện báo cáo rằng cô ấy đã phát hiện ra mối liên hệ giữa virus và virus Vũ Hán; không nghi ngờ gì khi cố gắng chứng minh rằng virus này là nguồn tự nhiên của virus Vũ Hán.

Tuy nhiên, một hiện tượng không thể giải thích được là việc so sánh trình tự gen virus cho thấy protein vỏ protein (protein E) và đoạn protein màng protein (protein M) ORF6 của virus dơi móng ngựa mới (RaTG13) và virus Vũ Hán đã đạt được axit amin trình tự giống hệt 100%, protein S giống 97,7% với virus Vũ Hán.

**Article**

**Extended Data Table 3 | Genomic comparison of 2019-nCoV WIV04 with SARS-CoVs and bat SARSr-CoVs**

Sequence identities with SARS-CoVs & bat SARSr-CoVs (nt/aa %)

	Full-length genome	ORF1a	ORF1b	S	ORF3a	E	M	ORF6	ORF7a	ORF7b	ORF8	N
SARS-CoV GZ02	79.6	76.0/80.9	86.2/95.7	73.4/77.0	75.6/73.4	94.7/96.0	85.4/90.5	76.3/68.9	82.8/86.0	84.8/81.4	52.0/31.6	87.7/91.2
SARS-CoV BJ01	79.6	76.0/80.8	86.2/95.7	73.4/76.9	75.3/72.6	94.7/96.0	85.6/90.5	75.8/67.2	82.8/86.0	84.8/81.4	51.1/-	88.8/91.2
SARS-CoV Tor2	79.6	76.0/80.9	86.2/95.8	73.4/76.7	75.4/72.6	94.7/96.0	85.6/90.5	76.3/68.9	82.8/86.0	84.8/81.4	51.1/-	88.8/91.2
SARS-CoV SZ3	79.6	76.0/81.0	86.2/95.8	73.4/76.9	75.4/72.6	94.7/96.0	85.3/90.0	76.3/68.9	82.8/86.0	84.8/81.4	52.3/31.6	88.8/91.2
SARS-CoV PC4-227	79.5	76.0/80.8	86.1/95.6	73.4/76.7	75.5/72.6	94.7/96.0	85.1/90.0	75.8/68.9	82.8/86.0	84.8/81.4	52.3/-	88.5/90.7
Bat SARSr-CoV RaTG13	96.2	96.0/98.0	97.3/99.3	93.1/97.7	96.3/97.8	99.6/100	95.5/99.6	98.4/100	95.6/97.5	99.2/97.7	97.0/95.0	96.9/99.0
Bat SARSr-CoV WIV1	79.7	76.0/80.7	85.9/95.8	73.4/77.6	76.1/74.5	95.6/96.0	84.8/90.0	78.0/73.8	85.0/88.4	85.6/83.7	65.8/57.9	88.3/90.9
Bat SARSr-CoV WIV16	79.7	75.9/81.0	86.1/95.6	73.1/77.8	76.1/74.5	95.6/96.0	84.8/90.0	77.4/72.1	85.0/88.4	85.6/83.7	65.3/57.9	88.6/90.9
Bat SARSr-CoV SHC014	79.6	75.9/80.9	85.9/95.8	73.3/77.7	76.1/74.5	95.6/96.0	84.8/90.0	78.0/70.5	84.4/88.4	85.6/83.7	65.8/58.7	88.6/90.9
Bat SARSr-CoV Rs4231	79.7	76.0/81.0	86.2/95.8	72.9/77.5	75.8/74.1	94.3/94.7	84.4/90.0	76.9/67.2	85.0/88.4	85.6/83.7	65.3/57.9	88.8/91.4
Bat SARSr-CoV YNLF31C	79.0	75.7/80.6	85.8/95.7	71.4/75.5	75.0/71.2	94.3/96.0	84.7/89.6	76.9/70.5	83.1/87.6	86.4/83.7	50.3/31.3	88.3/90.5
Bat SARSr-CoV LYRa11	79.6	75.8/80.6	85.7/95.6	73.9/77.3	77.2/76.3	94.7/94.7	85.1/90.0	78.5/70.5	82.0/85.1	81.1/81.4	66.7/57.9	89.0/91.6
Bat SARSr-CoV ZC45	88.1	91.0/95.7	86.1/96.0	77.8/82.3	87.8/90.9	98.7/100	93.4/98.6	95.2/93.4	88.8/87.6	94.7/93.0	88.5/94.2	91.1/94.3
Bat SARSr-CoV ZXC21	88.0	90.9/95.7	86.2/95.8	77.1/81.7	88.9/92.0	98.7/100	93.4/98.6	95.2/93.4	89.1/88.4	95.5/93.0	88.5/94.2	91.2/94.3
Bat SARSr-CoV HuB2013	79.6	76.3/81.2	85.3/95.7	73.1/76.8	75.4/75.5	95.2/94.7	85.3/91.0	76.3/68.9	84.2/87.6	85.6/83.7	62.0/49.6	88.9/91.6
Bat SARSr-CoV GX2013	79.1	75.9/80.8	86.0/95.9	73.1/77.1	75.6/73.0	94.7/96.0	84.8/91.4	77.4/68.9	85.0/86.8	84.1/79.1	51.4/31.6	87.9/90.3
Bat SARSr-CoV SX2013	78.9	76.2/80.6	85.1/95.5	71.2/75.5	74.7/71.2	94.3/93.3	83.0/89.6	77.4/68.9	84.2/86.8	85.6/83.7	49.7/30.4	86.9/90.2
Bat SARSr-CoV SC2018	79.4	75.8/80.7	85.5/95.2	72.7/76.4	75.0/71.2	94.3/96.0	84.7/90.0	80.0/71.8	85.2/87.6	84.8/83.7	66.1/55.4	88.2/91.2
Bat SARSr-CoV Rs672	79.6	76.0/80.9	85.9/95.8	72.8/76.2	75.2/71.9	95.2/96.0	84.8/89.6	78.5/70.5	84.7/88.4	85.6/83.7	65.8/58.7	87.9/91.2
Bat SARSr-CoV Rp3	79.5	75.9/80.5	86.0/95.7	73.1/77.2	74.9/74.8	95.2/96.0	85.1/90.0	76.9/68.9	83.9/89.3	84.8/83.7	66.4/56.2	88.4/90.7
Bat SARSr-CoV Rf1	78.8	76.2/80.6	84.8/95.3	71.1/75.7	74.3/69.0	94.3/94.7	83.3/89.6	79.0/68.9	84.2/86.8	84.1/83.7	50.6/31.3	86.8/89.5
Bat SARSr-CoV HKU3-1	79.4	76.1/80.9	84.9/95.1	73.4/77.9	75.8/73.4	95.2/96.0	84.7/91.0	75.3/67.2	85.0/89.3	84.1/79.1	66.4/57.0	88.3/90.0

Điểm nổi bật màu vàng cho thấy sự tương đồng tổng thể giữa virus dơi móng ngựa mới và virus Vũ Hán đã đạt 96,2% và protein E đã đạt được sự thống nhất 100%.

Chuyên gia về virus học Sean Lin, cựu giám đốc Phòng thí nghiệm virus học tại Viện nghiên cứu quân đội Walter Reed, đã chỉ ra rằng đây là một loại virus corona khác giống 100% với virus Vũ Hán sau hiện tượng bất thường của virus Zhoushan.

Ông tin rằng các kết quả nghiên cứu hiện tại cũng đã phát hiện ra rằng trình tự gen của protein E có thể có không gian đàn hồi cao. Nói cách khác, nhiều vị trí của protein E này có thể có những thay đổi di truyền, nhưng nó sẽ không ảnh hưởng đến nó để hỗ trợ virus hoàn thành quá trình lắp ráp. Nói cách khác, không có áp lực chọn lọc mạnh mẽ để buộc protein E duy trì độ trung thực cao của toàn bộ chuỗi gen protein.

#### **4. Bí ẩn con Tê tê: vật chủ trung gian đột ngột**

Không giống như dịch SARS trước đó, dịch coronavirus Vũ Hán đã được báo cáo kể từ khi dịch bệnh bùng phát. Các quan chức luôn tuyên bố rằng dơi có khả năng là vật chủ tự nhiên của Vũ Hán Coronavirus. Tuy nhiên, ngay cả sau khi nhóm chuyên gia quốc gia tiến hành điều tra toàn diện Chợ thú y hải sản Nam Trung Quốc, các quan chức vẫn thất bại trong việc tuyên bố loại động vật hoang dã nào gây ra thảm họa quốc gia. Việc thiếu các vật chủ trung gian cũng trở thành nguyên nhân chính gây nghi ngờ về nguồn gốc của virus.

##### **4.1 Con Tê tê đặc biệt**

Vào ngày 7 tháng 2, tin tức đến từ Quảng Châu, cách Vũ Hán hơn 1.000 km. Đại học Nông nghiệp Nam Trung Quốc đã công bố nghiên cứu mới nhất nói rằng tê tê có thể là vật chủ trung gian tiềm năng cho loại virus mới này.

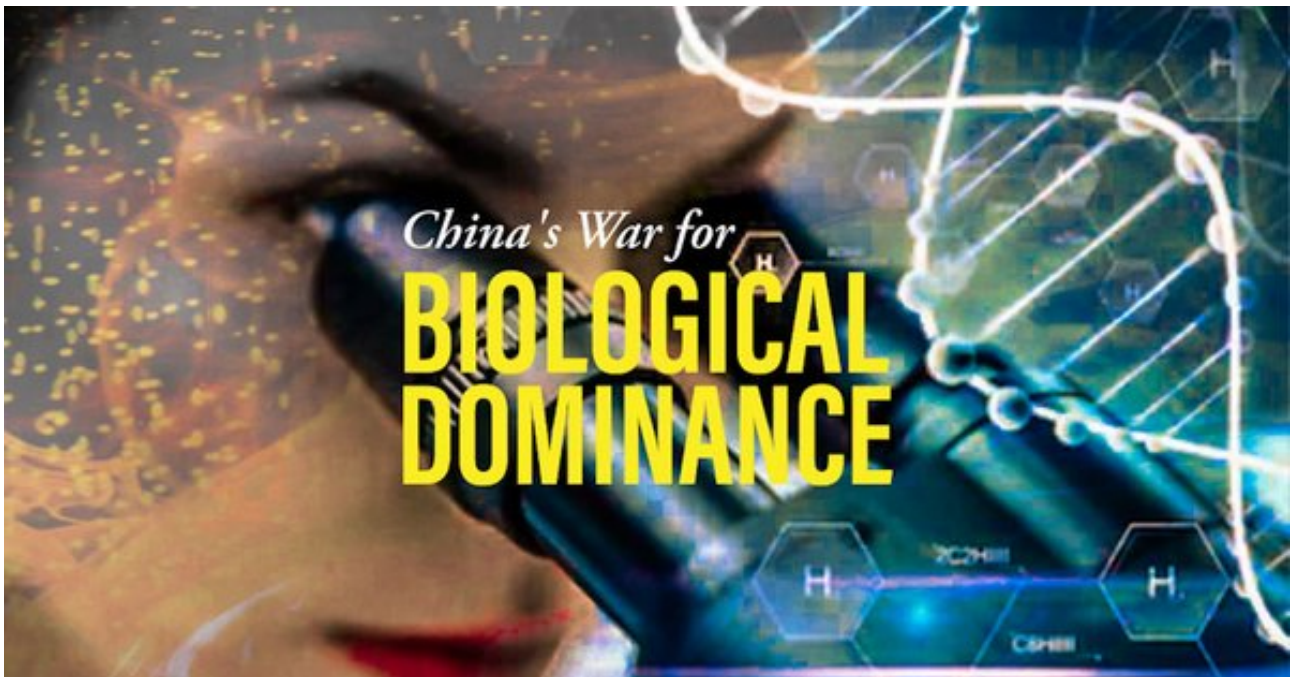


**GreatGameIndia**

**@GreatGameIndia**

China's national strategy of military-civil fusion has highlighted biology as a priority & as an emerging domain of warfare is guided by strategists who talk about potential "genetic weapons" & the possibility of a "bloodless victory." #CoronaVirusCanada Chiến lược quốc gia về hợp nhất quân sự-dân sự của Trung Quốc đã nhấn mạnh sinh học là ưu tiên hàng đầu và vì một lĩnh vực chiến tranh mới nổi được hướng dẫn bởi các chiến lược gia nói về vũ khí di truyền tiềm năng của virus & khả năng chiến thắng không đổ máu





*Weaponizing Biotech - China's War for Biological Dominance |*

*China is sponsoring research on weaponizing Biotech in preparation for a New Domain of Warfare - a part of China's War for Biological Dominance*  
*Weaponizing Biotech - Chiến tranh thống trị sinh học của Trung Quốc | Trung Quốc đang tài trợ cho nghiên cứu vũ khí hóa công nghệ sinh học để chuẩn bị cho một miền chiến tranh mới - một phần của Chiến tranh thống trị sinh học của Trung Quốc*  
*greatgameindia.com*

Tại cuộc họp báo, Liu Yahong, Chủ tịch Đại học Nông nghiệp Nam Trung Quốc, tiết lộ rằng các nhà nghiên cứu từ Đại học Nông nghiệp Nam Trung Quốc, Phòng thí nghiệm Nông nghiệp hiện đại tỉnh Quảng Đông, Shen Yongyi, Xiao Lihua và các nhà nghiên cứu khác đã phân tích một nghìn mẫu metagenome và tìm thấy- corona trên tê tê. Loại virus mà họ cho biết có thể liên quan mật thiết đến Vũ Hán Coronavirus.

Nhóm nghiên cứu cũng tuyên bố tại cuộc họp báo rằng thông qua việc phân lập và xác định virus hơn nữa, một cấu trúc hạt coronavirus điển hình đã được quan sát dưới kính hiển vi điện tử; cuối cùng, bằng cách phân tích bộ gen của virus, chủng virus bị cô lập đã được tìm thấy đang lây nhiễm cho người. Sự giống nhau của các chuỗi biến dạng cao tới 99% và vì vậy họ đã tuyên bố rằng các kết quả trên cho thấy rằng tê tê là vật chủ trung gian tiềm năng cho coronavirus mới.



Đây là một tin tức nặng nề khác về sự phơi nhiễm hiệu quả của coronavirus Vũ Hán sau khi nhóm Shi Zhengli tuyên bố vào ngày 23 tháng 1 rằng họ đã khóa máy chủ tự nhiên của coronavirus Vũ Hán mới.

Một tin tức lớn như vậy tự nhiên khiến các phương tiện truyền thông đại lục theo dõi nhanh chóng. Vào ngày 8 tháng 2, nhật báo miền Nam của Nhật Bản đã phỏng vấn độc quyền các chuyên gia có liên quan của Đại học Nông nghiệp Nam Trung Quốc, để thế giới bên ngoài biết về một số sự thật bất thường về con Coronavirus Tê tê.

Shen Yongyi thuộc Viện nghiên cứu trường đại học thú y Huanong tuyên bố trong một cuộc phỏng vấn rằng các mẫu tê tê được phát hiện mang virus không đến từ Quảng Đông, cũng không phải từ một dân số cụ thể. Những con tê tê đã được lấy từ một số tổ chức nhất định.

由此，我们把目光锁定在穿山甲身上，后面通过分子生物学检验的手段进一步确认。

南方日报、南方+：接受分子生物学检验的这批穿山甲样本，来自哪里？

沈永义：我们要说明一点，这批穿山甲不是来自广东，也不是来自某个特定种群。

这些穿山甲样本是我们从某些特定机构获取的，数量不多。我们对样本开展分子生物学检测，有70%呈β冠状病毒阳性，但这个70%的数字只能起参考作用，不代表自然界中的穿山甲有七成带病。

实际上，在国内常见的中华穿山甲的宏基因组中，我们并没有检测出与病毒基因组高度匹配的序列，公众不必过分担心。

南方日报、南方+：从穿山甲中发现的病毒与新型冠状病毒有99%相似，意味着什么？



Ảnh chụp màn hình báo cáo hàng ngày của Huanong

Feng Yaoyu, một thành viên của nhóm và là giáo sư tại Cao đẳng thú y Huânong, trong một cuộc phỏng vấn với Caixin, một phương tiện truyền thông đại lục khác, đã tuyên bố thẳng thắn rằng lô tê tê này thực sự được nhập khẩu bởi một số đơn vị và đã

kiểm được mục đích đánh giá nguyên nhân". Những mẫu này không phải là đặc biệt lớn.

science.caixin.com/2020-02-07/101512695.html

关于研究团队是从哪里获得的穿山甲样本，华南农业大学兽医学院教授冯耀宇表示，“我们并没有大规模获得穿山甲样本的优势，实际是应某些单位之邀，因为疾病诊断的原因，让我们判断病因而获得的某些样品，样品量目前并不是特别大，我们也希望有更多样品一道来验证。它是一个特殊的群体。”

中科院一位生物信息学领域的研究员告诉财新记者，他们也刚拿到华南农大团队从穿山甲中分离到的病毒基因序列，发现其中大约有4000个还没有测序、尚不明确的核苷酸（新冠病毒约有29410个核苷酸），还需进一步分析。她认为，如果是99%的基因相似度，说明穿山甲比蝙蝠离新冠病毒更近，肯定可以作为一个中间宿主，“因为它已经比蝙蝠的那条序列离人更近了”。阳性率为70%也说明病毒在穿山甲种群中分布比较普遍了，但它是不是直接传染人的传染源，还需要流行病调研信息的支持。

Báo cáo tin tức Caixin Ảnh chụp màn hình

#### 4.2 Coronavirus từ Tê tê có lây nhiễm cho con người không?

Rõ ràng, lô tê tê này là một lô các mẫu có đặc điểm đặc biệt, bởi vì Shen Yongyi thừa nhận rằng không có loại virus nào được tìm thấy trong các mẫu tê tê thông thường của Trung Quốc được thu thập bởi chính họ. Về lý do tại sao, một cơ quan cụ thể, ông đã chủ động cung cấp cho họ những mẫu đặc biệt này, nó không được đề cập trong báo cáo.

Nói về câu hỏi quan trọng nhất của người hỏi về việc "coronavirus tê tê lây nhiễm cho người thế nào", Feng Yaoyu trả lời: "Lô tê tê này là một nhóm đặc biệt có triệu chứng. Cho dù chúng tôi có thể lây nhiễm cho mọi người hay không không rõ ràng vào lúc này, chúng tôi cần thông tin liên quan. Nghiên cứu thêm của bộ phận xác nhận".

Báo cáo Caixin cũng dẫn lời một chuyên gia bên thứ ba đã chỉ ra rằng trong trình tự gen virus được phân lập từ tê tê bởi nhóm của Huanong, có khoảng 4.000 nucleotide chưa được xử lý và không rõ ràng (virus corona mới có khoảng 29410 hạt nhân

Glycine). phân tích. Báo cáo cũng nói rằng để xác định tê tê là vật chủ trung gian tiềm năng cho loại virus mới này, các chuyên gia tin rằng "cần có thêm bằng chứng".

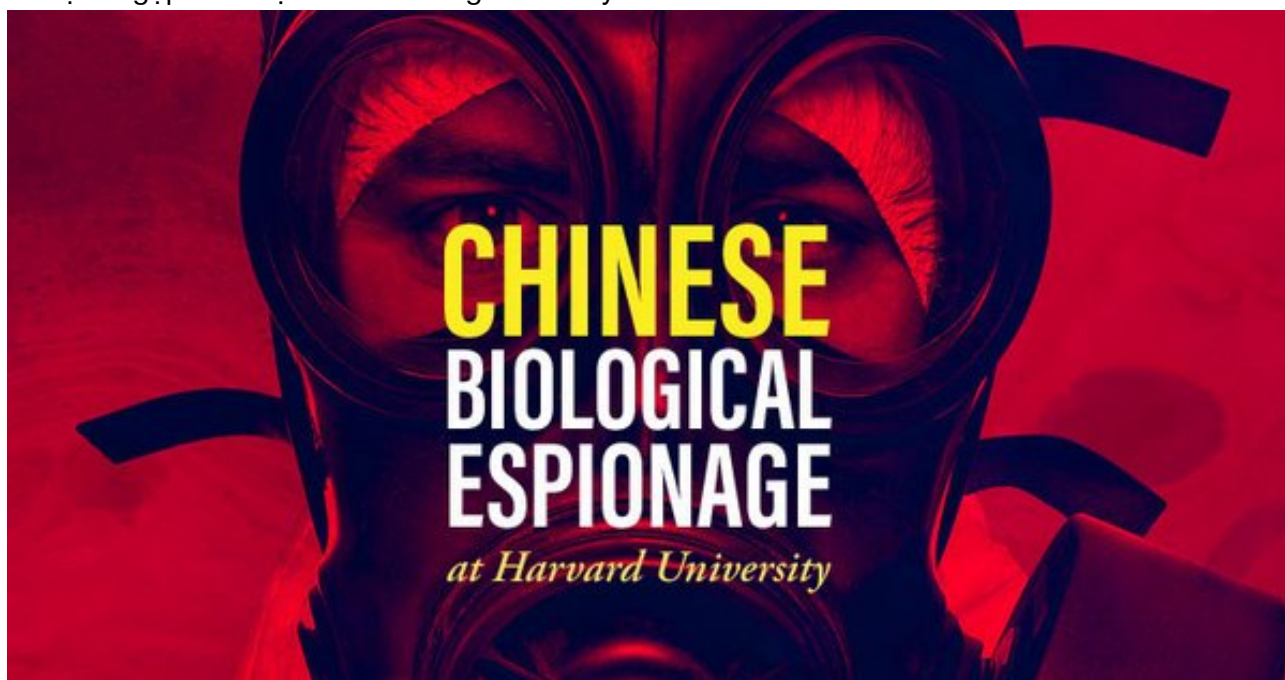
Vì bằng chứng là không đủ, vấn đề chính của việc liệu coronavirus tê tê có thể lây nhiễm cho người hay không là không chắc chắn. Ngay cả khi quá trình làm thế nào những con dơi nhiễm cho tê tê cũng không rõ ràng, tại sao nhóm Huanong lại vội vàng tuyên bố rằng tê tê là vật chủ trung gian và vô số chuyên gia đang làm mọi thứ có thể? Thế còn "cầu nối" từ dơi đến người thì sao?



GreatGameIndia

@GreatGameIndia

And now more Chinese Biowarfare agents at Harvard University have been caught smuggling deadly viruses from America. Và bây giờ, nhiều đại lý Biowarfare Trung Quốc tại Đại học Harvard đã bị bắt gặp buôn lậu virus chết người từ Mỹ#coronavirus



*Chinese Biowarfare Agents At Harvard University Caught Smuggling Viruses | GreatGameIndia*

*Chinese Biowarfare agents at Harvard University have been caught smuggling deadly viruses from America in a case of Biological Espionage. Đại lý Biowarfare Trung Quốc tại Đại học Harvard bị bắt vì buôn lậu virus | Các đặc vụ Biowarfare Trung Quốc tại Đại học Harvard đã bị bắt gặp buôn lậu các loại virus chết người từ Mỹ trong một vụ gián điệp sinh học.*

Các chuyên gia của Huanong thừa nhận trong một cuộc phỏng vấn với Nanfang Daily rằng các nhà khoa học thường công bố các bài báo học thuật trước khi công bố kết quả. Lần này, trước khi bài báo được viết, một cuộc họp báo được sắp xếp để thông báo kết quả, để đáp lại lời kêu gọi quốc gia, và nó rất căng thẳng đối với chúng tôi.

Chuyên gia về virus, bà Dong Yuhong đã đặt câu hỏi này: Nếu những con tê tê này được coi là vật chủ trung gian sao không đến từ Quảng Đông, làm thế nào chúng xâm nhập vào hang Dơi ở Vân Nam, bị nhiễm ba chủng virus và sau đó làm thế nào virus này quay trở lại Quảng Đông, cuối cùng vượt qua núi và nước và trở về Vũ Hán, Hồ Bắc để kích hoạt dịch bệnh?

## **5. Viện virus học Vũ Hán : tâm chấn của dịch coronavirus**

Việc đặt câu hỏi về kết quả nghiên cứu của nhóm Shi Zhengli đã khiến sự chú ý của thế giới bên ngoài về nguồn gốc của virus đến Viện Virus học Vũ Hán. Xét cho cùng, đây là phòng thí nghiệm P4 (cấp độ an toàn sinh học cấp 4) cao nhất trong khu vực nghiên cứu virus của Trung Quốc.

Kể từ khi bắt đầu toàn bộ vụ dịch ở Vũ Hán, Viện Virus học Vũ Hán đã duy trì sự im lặng bất thường. Viện nghiên cứu virus này đã trải qua một loạt những thăng trầm kể từ khi thành lập, và dường như nó chỉ ra rằng viện nghiên cứu này chắc chắn sẽ trở nên phi thường.



[GreatGameIndia](#)

[@GreatGameIndia](#)

*A group of Indian scientists have discovered that Wuhan #Coronavirus has been engineered with AIDS like insertions. The study concludes that it is unlikely for a virus to have acquired such unique insertions naturally in a short duration of time. Một nhóm các nhà khoa học Ấn Độ đã phát hiện ra*



rằng Vũ Hán #Coronavirus đã được thiết kế với AIDS giống như sự chèn ép. Nghiên cứu kết luận rằng không có khả năng virus có được các phần chèn độc đáo như vậy một cách tự nhiên trong một khoảng thời gian ngắn.



*Indian Scientists Discover Coronavirus Engineered With HIV (AIDS) Like Insertions | GreatGameIndia*

*A group of Indian scientists have discovered that Wuhan Coronavirus has been engineered with AIDS like insertions and that it is not naturally evolved. Các nhà khoa học Ấn Độ phát hiện ra coronavirus được thiết kế với HIV (AIDS) giống như sự xâm nhập | Một nhóm các nhà khoa học Ấn Độ đã phát hiện ra rằng coronavirus Vũ Hán đã được thiết kế với AIDS giống như sự chèn ép và nó không tự nhiên tiến hóa.*

### 5.1 Sự hợp tác Trung-Pháp

Vào ngày 23 tháng 1, Vũ Hán vừa tuyên bố đóng cửa thành phố, và "Mạng Thách thức / Challenge Network" của Pháp đã xuất bản một bài báo tiết lộ nhiều chi tiết đáng lo ngại về sự hợp tác Trung-Pháp trong việc thiết lập một phòng thí nghiệm P4 ở Vũ Hán.

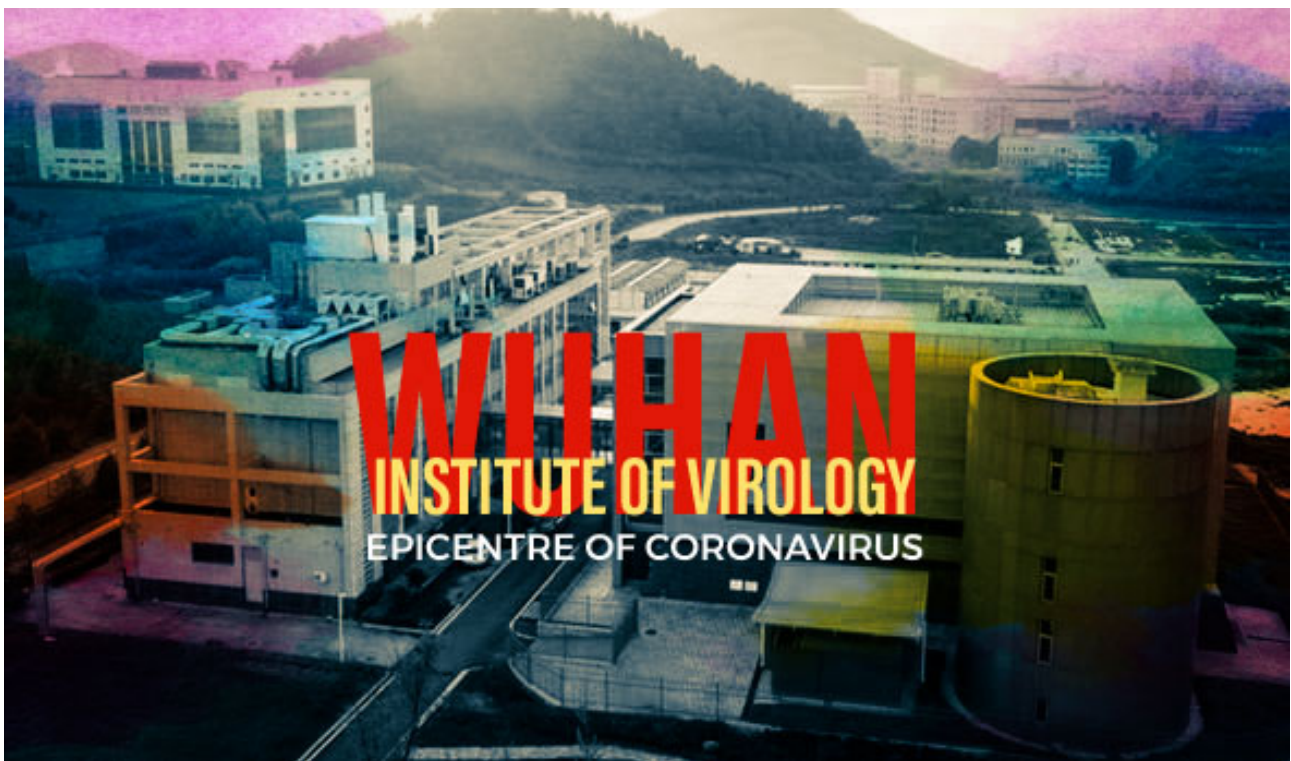
Bài báo viết rằng, vì Pháp là quốc gia hàng đầu trong lĩnh vực nghiên cứu virus toàn cầu, ngay từ năm 2003, Viện Hàn lâm Khoa học Trung Quốc đã yêu cầu chính phủ Pháp hỗ trợ Trung Quốc mở một trung tâm nghiên cứu virus cấp cao nhất. Yêu cầu của Trung Quốc đã gây ra sự chia rẽ giữa chính phủ Pháp và các chuyên gia về virus, bởi vì mặc dù Viện Virus học Vũ Hán có thể chống lại sự bùng phát của các bệnh truyền nhiễm, một số chuyên gia Pháp lo



ngại rằng CCP sẽ sử dụng công nghệ của Pháp để phát triển vũ khí sinh học. Quả thực là một cảnh báo nghiêm trọng!

Với sự hỗ trợ của Thủ tướng Jean-Pierre Raffarin, Trung Quốc và Pháp đã ký một thỏa thuận vào năm 2004 để hợp tác xây dựng một trung tâm virus P4 trong bối cảnh lo ngại rộng rãi.

Tổng cục An ninh Hải ngoại Pháp cảnh báo rằng RTV, một công ty thiết kế kiến trúc ở Lyon (Pháp) ban đầu chịu trách nhiệm cho dự án của phòng thí nghiệm, nhưng vào năm 2005, CCP đã chính thức chọn cơ quan thiết kế địa phương của Vũ Hán IPPR (Zhongyuan International Engineering Co., Ltd. ) cho dự án. **Theo điều tra của họ, viện thiết kế IPPR có liên quan chặt chẽ với các bộ phận trực thuộc của CCP. Các phòng ban này từ lâu đã là mục tiêu giám sát của Cơ quan Tình báo Trung ương Hoa Kỳ (CIA) .**



*Viện virus học Vũ Hán - Epicenter Of coronavirus*

Thông tin công khai cho thấy IPPR (Zhongyuan International Engineering Co., Ltd.) được thành lập năm 1953 và trực thuộc Tập đoàn Công nghiệp Máy móc Quốc gia Trung Quốc (SINOMACH), một doanh nghiệp nhà nước lớn của CCP và một công ty Fortune

[illegible]

Li Yuan, cựu giám đốc điều hành dự án của Hội chữ thập đỏ Trung Quốc, được phỏng vấn bởi Radio Free Asia chỉ ra rằng kể từ khi thành lập Viện virus học Vũ Hán, Viện hàn lâm khoa học Trung Quốc, đã thiếu sự minh bạch nghiêm trọng. Bản vẽ của phòng thí nghiệm P4 được cung cấp bởi Pháp. Thiết kế ban đầu là một lớp áp suất âm. Một "hố đen/black hole" đã được hình thành ở trung tâm của phòng thí nghiệm virus. Tất cả mọi thứ bên ngoài chỉ chảy vào trung tâm và sẽ không bị rò rỉ trong dòng chảy ngược.

Li Yuan tin rằng phía Trung Quốc không cho phép phía Pháp xây dựng, mục đích là để xây dựng một cái gì đó mà phía Pháp không biết.

Đồng thời, một số phương tiện truyền thông Hoa Kỳ tin rằng "những điều mà những người Pháp không biết đến" có liên quan đến vũ khí sinh học.

## 5.2 Chương trình vũ khí sinh học bí mật của Trung Quốc

Vào ngày 24 tháng 1, tờ *Thời báo Washington* đã đăng bài phỏng vấn của phóng viên Bill Gertz với Dany Shoham, cựu sĩ quan tình báo quân đội Israel. Shoham đã nói rõ trong cuộc phỏng vấn rằng Viện Virus học Vũ Hán có liên quan đến chương trình vũ khí sinh học bí mật của Bắc Kinh .

Shoham có bằng tiến sĩ về vi sinh y học. Từ năm 1970 đến năm 1991, ông là nhà phân tích cao cấp trong ngành tình báo quân đội Israel, cấp bậc trung tá, chịu trách nhiệm về các vấn đề chiến tranh sinh học và hóa học ở Trung Đông và thế giới. Là một chuyên gia về chiến tranh sinh học, Shoham đã chỉ ra rằng căn bệnh truyền nhiễm chết người của Coronavirus Vũ Hán có thể lan rộng trên toàn thế giới và nguồn gốc của nó là Phòng thí nghiệm Vũ Hán liên quan đến chương trình vũ khí sinh học bí mật của CCP .

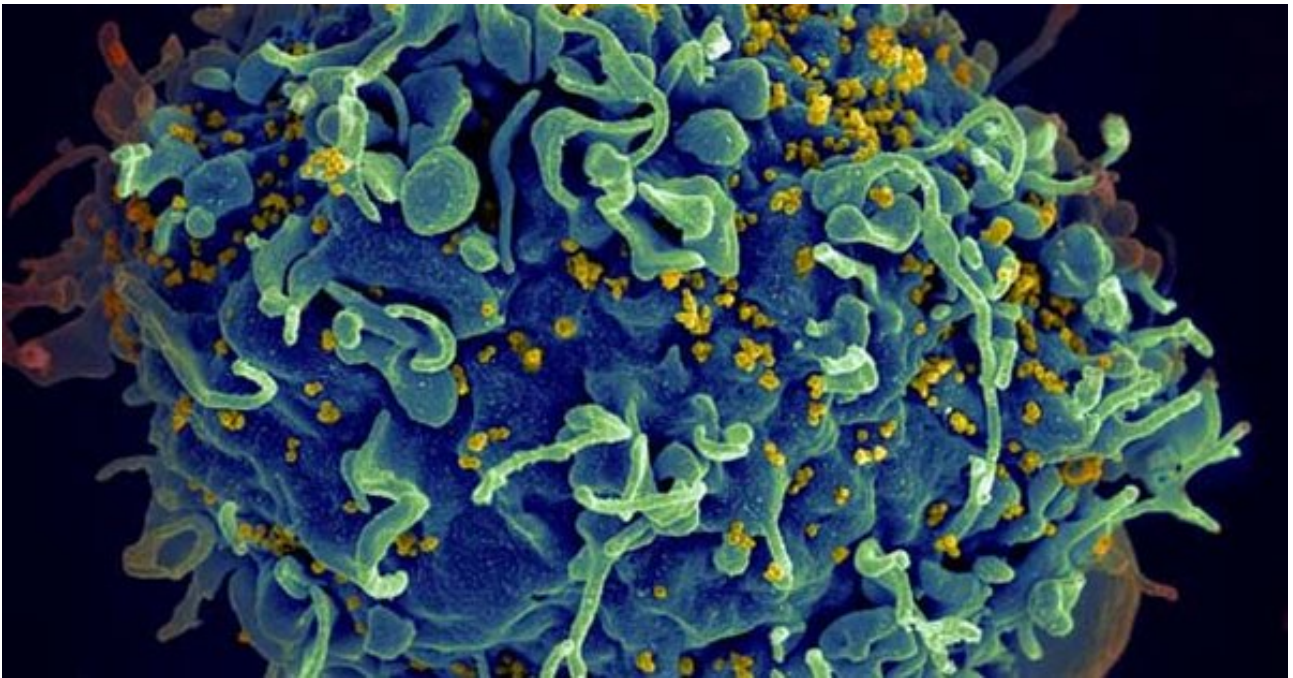


GreatGameIndia

@GreatGameIndia

The study was undertaken by scientists from Indian Institute of Technology, Acharya Narendra Dev College and University of Delhi and has been published under title Uncanny similarity of novel inserts in the 2019-nCoV spike protein to HIV-1 gp120 and Gag. Nghiên cứu được thực hiện bởi các nhà khoa học từ Viện Công nghệ Ấn Độ, Acharya Narendra Dev College và Đại học Delhi và đã được xuất bản với tiêu đề tương tự Uncanny của các chèn mới vào protein tăng đột biến 2019-nCoV với HIV-1 gp120 và Gag





*Uncanny similarity of unique inserts in the 2019-nCoV spike protein to HIV-1 gp120 and Gag |...*  
*Study by Indian scientists on Coronavirus: Uncanny similarity of unique inserts in the 2019-nCoV spike protein to HIV-1 gp120 and Gag / Sự giống nhau kỳ lạ của các phần chèn độc đáo trong protein tăng đột biến 2019-nCoV với HIV-1 gp120 và Gag | ...*  
*Nghiên cứu của các nhà khoa học Ấn Độ về coronavirus: Sự giống nhau kỳ lạ của các hạt chèn độc nhất trong protein tăng đột biến 2019-nCoV với HIV-1 gp120 và Gag.*

Ông nói rằng CCP (The Chinese Communist Party) đã liên tục phủ nhận việc sở hữu bất kỳ vũ khí sinh học tấn công nào, nhưng Bộ Ngoại giao Hoa Kỳ tuyên bố trong một báo cáo năm ngoái rằng họ nghi ngờ rằng chính CCP đang tham gia vào một chương trình nghiên cứu và phát triển chiến tranh sinh học bí mật .

Shoham cũng chỉ ra rằng Viện Virus học Vũ Hán có liên kết với Viện Khoa học Trung Quốc, nhưng một số phòng thí nghiệm trong Viện có liên quan đến Quân đội Trung Quốc hoặc chương trình vũ khí sinh học của CCP. Và Viện không phải là người duy nhất. CCP có ba viện khác tham gia phát triển vũ khí sinh học.

CCP đã phát triển vũ khí sinh học từ lâu. Năm 1993, CCP đã công bố tổ chức sinh học thứ hai của Vũ Hán, Viện Sản phẩm Sinh học Vũ Hán. Đây là một trong tám tổ chức nghiên cứu chiến tranh sinh học thuộc Công ước Vũ khí sinh học (BWC - Biological Weapons Convention), mà CCP đã tham gia năm 1985.

Shoham cũng nói rõ rằng virus SARS đã được đưa vào toàn bộ chương trình vũ khí sinh học của CCP và phòng thí nghiệm P4 ở Vũ Hán cũng lưu trữ nhiều loại virus chết người, bao gồm cả virus sốt xuất huyết Ebola, Nipah và virus sốt xuất huyết Crimean-Congo.

Mặc dù CCP đã thực hiện một cuộc phong tỏa toàn diện báo cáo về Viện Virus học Vũ Hán , nhưng những tiếng nói nghi ngờ trong nước vẫn tiếp tục lưu hành.



[GreatGameIndia](https://www.greatgameindia.com/)

[@GreatGameIndia](https://twitter.com/GreatGameIndia)

### MUST READ #Coronavirus

"Only by using non-destructive weapons that can kill many will we be able to reserve America for ourselves." The answer is found in biological weapons. In the past years we have seized opportunity to master weapons of this kind"/ "Chỉ bằng cách sử dụng vũ khí không phá hủy có thể giết chết nhiều người, chúng ta mới có thể dự trữ nước Mỹ cho chính mình. Câu trả lời được tìm thấy trong vũ khí sinh học. Trong những năm qua, chúng tôi đã nắm bắt cơ hội để làm chủ vũ khí loại này"



*Coronavirus - China's Secret Plan To Weaponize Viruses | GreatGameIndia*

*In a secret speech two decades ago, Chinese Defense Minister Gen. Chi Haotian explained a long-range China's secret plan to weaponize viruses. / Coronavirus - Kế hoạch bí mật của Trung Quốc để vũ khí hóa virus |*

*Trong một bài phát biểu bí mật hai thập kỷ trước, Bộ trưởng Quốc phòng Trung Quốc, Tướng Chi Haotian đã giải thích một kế hoạch bí mật dài hạn của Trung Quốc để vũ khí hóa virus.*



## **6. Cuộc điều tra của GreatGameIndia về vũ khí sinh học coronavirus (Bioweapon)**

Hiện tại, tình hình dịch bệnh của coronavirus Vũ Hán vẫn đang lan rộng trên toàn thế giới. Bệnh dịch hạch thể kỷ cũ bùng phát ở Vũ Hán đã được coi là căn bệnh truyền nhiễm đe dọa nhất loài người kể từ trước khi bị đại dịch cúm Tây Ban Nha 1918 (dịch bệnh dịch hạch bùng phát ở thành phố thương mại phía nam Trung Quốc đã nổ ra vào những năm 1870, lan sang Mỹ 1900). Tình hình nghiêm trọng hơn là ở Trung Quốc đại lục, nơi là trung tâm của vụ dịch, nhiều thông tin quan trọng vẫn còn mờ đục, bao gồm cả nguồn virus quan trọng.

### **6.1 Lực lượng đặc nhiệm coronavirus của Nhà Trắng**

Vào ngày 5 tháng 2, Hạ viện Hoa Kỳ đã tổ chức phiên điều trần đầu tiên về các vấn đề liên quan. Một số nhà lập pháp đã đặt câu hỏi về việc chính quyền Bắc Kinh che giấu dịch bệnh ở Trung Quốc và nói rằng vai trò của Tổ chức Y tế Thế giới (WHO) đang mất uy tín.

Do tác động trực tiếp của cuộc điều tra của GreatGameIndia đối với coronavirus, đã phát hiện ra những loại virus chết người được buôn lậu bởi các đặc vụ về chiến tranh sinh học đến từ Vũ Hán tại một phòng thí nghiệm ở Canada, nơi người ta tin rằng coronavirus đã được vũ khí hóa, Nhà Trắng đã mở một cuộc điều tra để xác định xem những phát hiện này có đúng không và liệu coronavirus có thực sự được thiết kế sinh học trong phòng thí nghiệm.

Giám đốc Văn phòng Chính sách Khoa học và Công nghệ của Nhà Trắng (OSTP), trong một lá thư gửi Viện Hàn lâm Khoa học, Kỹ thuật và Y học Quốc gia, đã yêu cầu các chuyên gia khoa học theo dõi nhanh chóng về nguồn gốc của virus để giải quyết cả sự lây lan và hiện tại để thông báo về sự chuẩn bị bùng phát trong tương

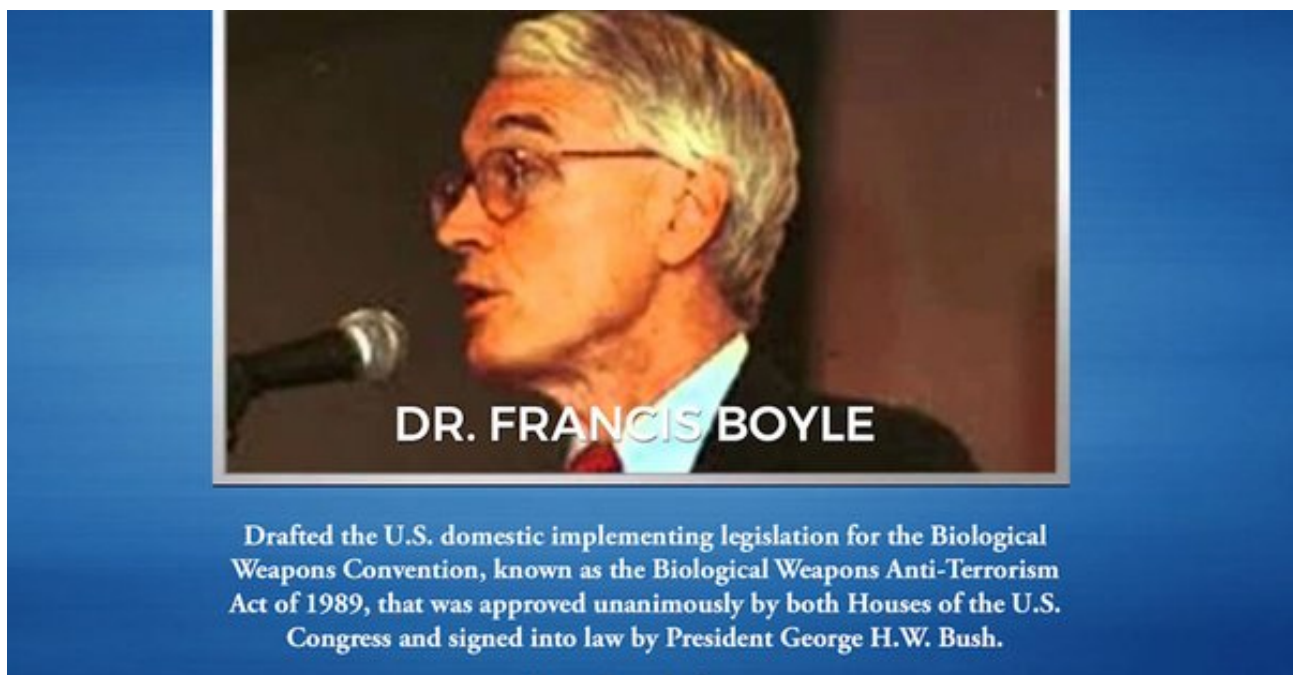
lai và hiểu rõ hơn về các khía cạnh lây truyền từ động vật / người và môi trường của coronavirus.

Giám đốc của OSTP, Kelvin Droegemeier, đã viết trong thư gửi chủ tịch Viện hàn lâm Khoa học Quốc gia, Marcia McNutt, rằng một bài viết tranh chấp rộng rãi về nguồn gốc - sau đó đã bị rút lại - đã cho thấy sự khẩn cấp về thông tin chính xác về nguồn gốc của sự bùng nổ.



## GreatGameIndia

In an explosive interview Dr. Francis Boyle, who drafted the Biological Weapons Act has given a detailed statement admitting that the 2019 Wuhan #Coronavirus is an offensive Biological Warfare Weapon and that the WHO already knows about it. / Trong một cuộc phỏng vấn bùng nổ, Tiến sĩ Francis Boyle, người soạn thảo Đạo luật Vũ khí Sinh học đã đưa ra một tuyên bố chi tiết thừa nhận rằng #Coronavirus Vũ Hán 2019 là một Vũ khí Chiến tranh Sinh học tấn công và WHO đã biết về nó.



*Dr. Francis Boyle Creator Of BioWeapons Act Says Coronavirus Is Biological Warfare Weapon |...*  
*Dr. Francis Boyle, who drafted Biological Weapons Act has given a detailed statement admitting that Coronavirus is an offensive Biological Warfare Weapon / Tiến sĩ Francis Boyle Người tạo ra Đạo luật BioWeapons cho biết coronavirus là vũ khí chiến tranh sinh học | ...*  
*Tiến sĩ Francis Boyle, người soạn thảo Đạo luật Vũ khí Sinh học đã đưa ra một tuyên bố chi tiết thừa nhận rằng coronavirus là một vũ khí chiến tranh sinh học gây khó chịu*

## 6.2 Vũ khí Sinh học Coronavirus

Cuộc điều tra này là để đáp ứng trực tiếp với những phát hiện của GreatGameIndia về coronavirus, như Joshua Phillip đưa ra:

- Báo cáo ban đầu đưa ra tuyên bố về phòng thí nghiệm P4 như một nguồn tiềm năng đã được xuất bản bởi GreatGameIndia, một tạp chí về địa chính trị và quan hệ quốc tế trong báo cáo của mình về Coronavirus Bioweapon. Các ấn phẩm khác, như Thời báo Washington, theo sau, với các yêu cầu bổ sung dựa trên các cuộc phỏng vấn.

- Mặc dù tường thuật về virus đến từ phòng thí nghiệm chưa được công bố, nó đã bị một số cơ quan báo chí chỉ trích.

- Bất kể coronavirus đến từ đâu, sự chú ý trong phòng thí nghiệm P4 đã tập trung chú ý vào chương trình chiến tranh sinh học được cho là của Trung Quốc và đang đặt ra câu hỏi về bản chất của phòng thí nghiệm P4 ở Vũ Hán.

Cuộc điều tra của GreatGameIndia cũng đã được chuyên gia Bioweapons, Tiến sĩ Francis Boyle chứng thực trong một cuộc phỏng vấn độc quyền dành cho *Địa chính trị và Đế chế*. Tiến sĩ Boyle đã soạn thảo luật thi hành nội địa của Hoa Kỳ cho Công ước Vũ khí sinh học, được gọi là Đạo luật chống khủng bố vũ khí sinh học năm 1989, được cả hai viện của Quốc hội Hoa Kỳ nhất trí phê chuẩn và được Tổng thống George HW Bush ký vào luật.

### 6.3 Vụ ám sát Frank Plummer



*Frank Plummer, nhà khoa học có trụ sở tại Winnipeg, Canada, một chìa khóa để điều tra coronavirus.*

Theo nghiên cứu gần đây của chúng tôi, trong một sự kiện rất căng thẳng, nhà khoa học nổi tiếng người Canada Frank Plummer, người đã nhận được mẫu SARS Coronavirus của Saudi và đang nghiên cứu vắc-xin coronavirus (HIV) tại phòng thí nghiệm Canada có trụ sở tại Winnipeg, nơi virus này được buôn lậu bởi đặc vụ vũ khí chiến tranh sinh học Trung Quốc, đã chết trong điều kiện bí ẩn. Frank Plummer là chìa khóa của vụ án gián điệp sinh học Trung Quốc tại Phòng thí nghiệm vi sinh quốc gia của thành phố Winnipeg.

Đối với Lực lượng đặc nhiệm coronavirus của Nhà Trắng cùng với các nhà chức trách Ấn Độ cần thăm dò Viện Virus học Vũ Hán, một nơi tốt để khởi động cuộc điều tra cũng sẽ là Nairobi, Kenya, nơi Frank Plummer chết.

Sự can thiệp của cộng đồng quốc tế đang phát ra một tín hiệu tích cực. Có lẽ bí ẩn về nguồn gốc của coronavirus mới (COVID-19) sẽ được tiết lộ trong tương lai gần, cho phép mọi người có thêm tự tin để đối mặt với thảm họa này.,.47